

**Transfer RNA derived small RNAs targeting defence responsive genes are induced during
Phytophthora capsici infection in black pepper (*Piper nigrum* L.)**

Supplementary Data 3

TRNA mapped small RNAs from *Phytophthora capsici* infected root library (Pn IR) of black pepper

Seq. ID	Length	Read Count	Sequence
t0000005	20	74230	GGGGATGTAGCTCAGATGGT
t0000006	21	66777	GGGGATGTAGCTCAGATGGTA
t0000009	22	41290	GGGGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0000010	23	33826	GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGA
t0000016	24	27481	GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAG
t0000018	19	25249	GCGTTTGTAGTCCAACGGT
t0000026	19	19598	GGGGATGTAGCTCAGATGG
t0000031	22	15048	GGGGATGTAGCTCAAACGGTAG
t0000039	23	11540	GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGA
t0000041	22	11375	GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTA
t0000048	21	9864	GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTT
t0000053	24	9133	GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAG
t0000063	23	6941	GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTAT
t0000067	25	6322	GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGC
t0000071	24	5752	GGGGGTGTAGCTCATATGGTAGAG
t0000077	25	5639	GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCA
t0000084	20	5371	GGTGTCGTGGTGTAGTTGGT
t0000092	24	5032	GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAG
t0000093	24	4939	GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATC
t0000101	22	4630	GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAG
t0000103	23	4600	GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGA
t0000109	23	4427	GGGGGTGTAGCTCATATGGTAGA
t0000111	21	4405	GGGGATGTAGCTCAGATGGTC
t0000115	20	4300	GCGTTTGTAGTCCAACGGTT
t0000127	23	3885	AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAA
t0000128	24	3882	GGGGATGTAGCTCAAATGGTAGAG
t0000129	22	3863	GGGGGTGTAGCTCATATGGTAG
t0000133	22	3721	GGGGATGTAGCTCAGATGGTCG
t0000139	23	3579	GGGGATGTAGCTCAAATGGTAGA
t0000142	21	3483	GGGGGTGTAGCTCATATGGTA
t0000145	21	3244	AGCGGGGTAGAGGAATTGGTC
t0000151	22	3106	GGGGATGTAGCTCAAATGGTAG
t0000163	21	2861	GGGGATGTAGCTCAAATGGTA
t0000167	25	2811	GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGC
t0000177	21	2619	GCGTTTGTAGTCCAACGGTTA
t0000195	21	2357	GGTGGCTGTAGTTTAGTGGA
t0000196	22	2322	AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCA
t0000200	22	2297	GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTTA
t0000203	22	2275	GGTGGCTGTAGTTTAGTGGA
t0000206	28	2243	GCGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCA
t0000218	20	2153	GCGTTTGTAGTCCAACGGTA
t0000233	21	1940	GGGATTGTAGTTCAATCGGTC
t0000235	21	1932	GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTT
t0000236	20	1930	GGTGGCTGTAGTTTAGTGGT
t0000238	20	1916	AGCGGGGTAGAGGAATTGGT
t0000248	24	1853	GGTGGCTGTAGTTTAGTGTTAGA

t0000249	25	1841 GGTGTCGTCGTGTAGTTGGTTATCA
t0000253	25	1821 GGGGGTGTAGCTCATATGGTAGAGC
t0000255	22	1817 GGTGTCGTCGTGTAGTTGGTTA
t0000265	21	1747 GGTGGCTGTAGTTTAGTGGTT
t0000268	23	1722 GGTGGCTGTAGTTTAGTGGTTAG
t0000269	29	1706 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCACCT
t0000270	26	1696 GGTGGCTGTAGTTTAGTGGTTAGAAT
t0000281	20	1650 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGT
t0000282	29	1648 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCAA
t0000298	24	1563 GGTGTCGTCGTGTAGTTGGTTATC
t0000299	29	1560 CGGGGTGTAGCTTAGCCTGGTAGAGCGCT
t0000301	19	1557 GTCGTTGTAGTATAGTGGT
t0000312	29	1515 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGCACC
t0000317	25	1465 GGTGGCTGTAGTTTAGTGGTTAGAA
t0000322	25	1449 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAACT
t0000354	28	1310 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCT
t0000379	19	1225 GCGGGGATAGCTCAGTTGG
t0000381	22	1213 GTCTGGGTGGTGTAGTCGGTTA
t0000426	20	1093 GGGGATGTAGCTCAAATGGT
t0000456	20	1058 GGGGGTGTAGCTCATATGGT
t0000489	25	1002 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAGC
t0000490	30	1001 CGGGGTGTAGCTTAGCCTGGTAGAGCGCTA
t0000492	22	1000 GGTGTCGTTGTGTAGTTGGTTA
t0000499	23	983 GGTGTCGTCGTGTAGTTGGTTAT
t0000529	28	938 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGCAC
t0000530	20	937 GGGATTGTAGTTCAATCGGT
t0000560	19	891 AGCGGGGTAGAGGAATTGG
t0000568	28	874 GGCTTTGTGGTCTAGCGGTATGATTCTC
t0000571	21	870 GGAGATGTAGCTCAGATGGTA
t0000576	21	866 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGT
t0000578	20	859 GGAGATGTAGCTCAGATGGT
t0000601	29	836 GGAGGTATGGCTGAGTGGCTTAAGGCATT
t0000612	25	826 GGGGATGTAGCTCAAATGGTAGAGC
t0000634	19	799 GGTGTCGTGGTGTAGTTGG
t0000649	19	781 GGTGGCTGTAGTTTAGTGG
t0000664	20	772 GCGGGGATAGCTCAGTTGGG
t0000679	24	756 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAAC
t0000708	25	725 GGTGTCGTTGTGTAGTTGGTTATCA
t0000725	23	711 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTTAT
t0000740	29	702 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCTA
t0000748	22	696 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTT
t0000824	22	646 GGGATTGTAGTTCAATCGGTCA
t0000865	26	621 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGC
t0000871	21	617 TGGGATGTAGCTCAGATGGTA
t0000885	22	609 GTGGACGTGCCGAGTGGTTAT
t0000897	28	604 GGTCTGGTGGTCTAGCGGTATGATTCTC
t0000899	22	601 GGAGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0000909	21	592 GCGTTTGTAGTCCAACGGTAA
t0000918	26	591 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCAC
t0000923	27	588 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCA

t0000951	31	573 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGTACCC
t0000965	21	567 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTC
t0000966	23	567 GGTGTCGTTGTGTAGTTGGTTAT
t0000972	27	564 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGCA
t0000999	25	553 GGTGGCTGTAGTTTAGTGGTAAGAA
t0001038	24	534 GGTGTCGTTGTGTAGTTGGTTATC
t0001040	28	533 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAACTCAT
t0001064	27	525 GCACTCGTAGCTTAACGGATAGAGCAT
t0001069	22	524 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTCA
t0001158	28	494 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCACC
t0001173	23	490 GGAGATGTAGCTCAGATGGTAGA
t0001174	25	489 GGGGATGTAGCTCAGATGGTCGAGC
t0001183	19	484 GGGATTGTAGTTCAATCGG
t0001193	30	482 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCACCTG
t0001206	20	478 TGGGATGTAGCTCAGATGGT
t0001218	29	474 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCCT
t0001226	30	471 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGTACC
t0001317	22	446 TGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTA
t0001320	31	445 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCACCTGC
t0001377	20	432 GGGATGTAGCTCAGATGGTA
t0001402	20	426 GCTGGAATAGCTCAGTTGGT
t0001417	20	423 GCGGGGTAGAGGAATTGGTC
t0001454	28	413 CGGGGTGTAGCTTAGCCTGGTAGAGCGC
t0001472	29	409 GGGATTGTAGTTCAATCGGTCAGAGCACC
t0001479	22	407 GGAGAGATGGCTGAGTGGACTA
t0001508	27	402 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGC
t0001515	23	399 GCGGGGATAGCTCAGTTGGGAGA
t0001561	22	389 GTGGTCGTGCCGGAGTGGTTAT
t0001570	22	388 GCGGGGATAGCTCAGTTGGGAG
t0001578	23	387 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTTA
t0001580	24	386 GGAGATGTAGCTCAGATGGTAGAG
t0001611	25	379 GTCGTTGTAGTATAGTGGTAAGTAT
t0001616	26	378 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCT
t0001628	28	376 GCCCGGATGGTGGAATGCAGACACGGCG
t0001634	27	375 GGCTTGTGGTCTAGCGGTATGATTCT
t0001682	23	367 GTCTGGGTGGTGTAGTCGGTTAT
t0001688	30	366 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCAAC
t0001717	22	360 GGGGGTGTAGCTCATATGGTCG
t0001720	23	360 GGGGGTGTAGCTCATATGGAAGA
t0001759	24	351 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTTATC
t0001793	30	346 GGGCCTGTAGCTCAGAGGATTAGAGCACGT
t0001794	22	346 TGGGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0001835	19	340 GGGATGTAGCTCAGATGGT
t0001847	21	337 GCGGGGATAGCTCAGTTGGGA
t0001862	20	335 GTTGAGATGGCCGAGTTGGT
t0001865	20	335 GGTGATGTAGCTCAGATGGT
t0001918	26	326 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCT
t0001926	25	326 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTTATCA
t0001937	22	324 GTCTGGGTTGTGTAGTTGGTTA
t0001957	28	321 GCACTCGTAGCTTAACGGATAGAGCATC

t0001971	21	318 GGAGAGATGGCTGAGTGGACT
t0001983	21	316 GGTGATGTAGCTCAGATGGTA
t0002155	20	298 GCGTTTGTAGTCCAACGGTC
t0002156	26	298 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCA
t0002179	27	296 GGTCTGGTGGTCTAGCGGTATGATTCT
t0002219	27	291 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAACTCA
t0002244	20	287 GTCGTTGTAGTATAGTGGTA
t0002249	18	287 GTTGAGATGGCCGAGTTG
t0002276	27	284 GGAGGTATGGCTGAGTGGCTTAAGGCA
t0002278	28	284 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCT
t0002357	22	277 GGGGATGTAGCTCAAATGGTCG
t0002358	28	277 GCGTGAATGGTTTAGTGGTAAAATTCTC
t0002438	24	270 TGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATC
t0002445	21	270 GGGGATGTAGCTCAGATGGTT
t0002473	19	267 GCGGGGTAGAGGAATTGGT
t0002487	19	266 GTCTGGGTGGTGTAGTTGG
t0002546	23	261 TGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTAT
t0002584	25	258 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGAGTAT
t0002605	23	256 TGGGATGTAGCTCAGATGGTAGA
t0002666	25	251 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAG
t0002728	19	246 GCGCCTGTAGCTCAGTGA
t0002731	21	246 GGGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0002736	23	246 GGAGAGATGGCTGAGTGGACTAA
t0002738	22	245 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAT
t0002743	24	245 TGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAG
t0002756	26	244 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTAGGATA
t0002869	29	237 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCTA
t0002884	24	236 GGGGGTGTAGCTCATATGGAAGAG
t0002912	26	234 GCGCGGATGGCGGAATTGGTAGACGC
t0002918	27	234 GGGATTGTAGTTCAATCGGTCAGAGCA
t0002926	21	233 TGTGTCGTGGTGTAGTTGGTT
t0002947	19	232 GGAGATGTAGCTCAGATGG
t0002950	28	231 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCACTT
t0002964	21	231 GTCGTTGTAGTATAGTGGTAA
t0002967	21	230 GGGGGTGTAGCTCATATGGTC
t0002988	20	229 GCACCAGTGGTCTAGTGGTA
t0002992	24	229 GCGGGGATAGCTCAGTTGGGAGAG
t0003031	26	227 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAACTC
t0003072	26	224 GCCCGGATGGTGGAATGCAGACACGG
t0003200	25	217 CGGGGTGTAGCGCAGCTTGGCAGCG
t0003231	22	214 GGTGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0003288	28	211 GGCGTTTGGTCTAGTGGTATGATTCTC
t0003321	26	210 GCGGATGTGGCGGAAGTGGTAGACGC
t0003351	19	208 GTGGCTGTAGTTTAGTGGT
t0003380	30	207 GGGATTGTAGTTCAATCGGTCAGAGCACCG
t0003388	21	206 GTGTCGTGGTGTAGTTGGTTA
t0003394	27	206 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTAGGATAA
t0003409	21	205 GCGTTTGTAGTCCAACGGTCA
t0003423	22	204 TCCGTTGTAGTCTAGTTGGTTA
t0003491	21	200 GGTGGCTGTAGTTTAGTGGTC

t0003506	29	199 GCGGCTGTAGCTCAGTTGGATAGAGTACT
t0003564	24	197 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAT
t0003568	26	197 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGC
t0003611	21	195 GGGGATGTAGCTCAAATGGTC
t0003615	18	195 GCGGGGATAGCTCAGTTG
t0003683	19	191 TGGGATGTAGCTCAGATGG
t0003698	28	190 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCAC
t0003814	25	185 TGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCA
t0003823	28	185 GGAGGTATGGCTGAGTGGCTTAAGGCAT
t0003844	23	184 GTGGACGTGCCGGAGTGGTTATC
t0003857	29	183 GGTGGCTGTAGCTCAGTTGGTAGAGTCCC
t0003866	21	183 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTC
t0003870	21	183 GCGGGGTAGAGGAATTGGTCA
t0003925	23	181 GGTGATGTAGCTCAGATGGTAGA
t0003932	27	181 GGGCGTTTGGTCTAGTGGTATGATTCT
t0003954	29	179 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGTAC
t0004040	27	176 CGGGGTGTAGCTTAGCCTGGTAGAGCG
t0004073	22	175 GGGATGTAGCTCAGATGGTAGA
t0004100	25	173 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTTAGG
t0004135	24	172 GGAGAGATGGCTGAGTGGACTAAA
t0004180	28	170 GGGCCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCT
t0004187	27	170 GGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTA
t0004219	28	169 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGTA
t0004259	29	168 GCCCCGATGGTGGAATGCAGACACGGCGA
t0004261	20	168 TCCATTGTCGTCTAGTCCGG
t0004279	20	167 GTCGATATGTCCGAGTGGTT
t0004294	20	166 TGTGTCGTGGTGTAGTTGGT
t0004295	28	166 GGAGAGATGGCTGAGTGGACTAAAGCTG
t0004302	27	166 GCGGACGTAGCGCAGCTGGTAGCGCAT
t0004344	24	165 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAA
t0004405	25	163 GGGGGTGTAGCTCATATGGAAGAGC
t0004412	26	162 GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGG
t0004452	27	161 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTTAGGAT
t0004457	18	161 GCGTTTGTAGTCCAACGG
t0004461	27	161 TGGGTTCGTGCCCCACGGTGGGCGCCA
t0004506	30	160 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCGCTCG
t0004538	27	159 TGGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAAG
t0004540	29	158 GGGCCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCTA
t0004556	28	158 TGGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAAGA
t0004561	27	158 GTCCGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGC
t0004632	22	155 GGTGTCGTAGTGTAGTTGGTTA
t0004641	28	155 TGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTA
t0004653	28	155 GGTGGCTGTAGCTCAGTTGGTAGAGTCC
t0004767	25	152 GGGGGTGTAGCTCATATGGTCGAGC
t0004866	28	149 TCCGGTATGGTGTAGTGGCTAACATTTC
t0004869	23	149 GTGGTCGTGCCGGAGTGGTTATC
t0004918	28	148 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTCGAGCGCA
t0004942	26	147 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGAACAT
t0004999	25	145 GCGCGGATGGCGGAATTGGTAGACG
t0005018	28	145 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCC

t0005035	27	144 GGAGAGATGGCTGAGTGGACTAAAGCG
t0005140	25	142 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTCATCA
t0005168	24	141 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTTAG
t0005183	26	141 TGGTAGAGCATTGACTGCAGATCAA
t0005184	20	141 GTCGTTGTAGTATAGTGGTG
t0005234	21	139 GCGGATATGGTCGAATGGTAA
t0005245	27	139 GGGCCTGTAGCTCAGAGGATTAGAGCA
t0005249	20	139 GTCAAGATGGCCGAGTTGGT
t0005259	20	139 GGCGATGTAGCTCAGATGGT
t0005291	25	138 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGC
t0005315	24	138 GGTGATGTAGCTCAGATGGTAGAG
t0005318	28	137 GCGGCTGTAGCTCAGTTGGATAGAGTAC
t0005335	29	137 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGAGTATTCCC
t0005346	28	137 GGGATTGTAGTTCAATCGGTCAGAGCAC
t0005382	22	136 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAA
t0005395	23	136 GGGGATGTAGCTCAGATGGTATA
t0005400	24	136 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAA
t0005407	19	135 GCACCAGTGGTCTAGTGGT
t0005439	27	135 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCTC
t0005455	25	134 GCGGGTGTAGCTCAGGGGTAGAGCA
t0005515	23	133 GGGATGTAGCTCAGATGGTAGAG
t0005553	20	132 GGCGGATGTGGCCAAGTGGA
t0005583	25	131 GGAGAGATGGCTGAGTGGACTAAAG
t0005613	27	130 GTGGTAGAGCATTGACTGCAGATCAA
t0005641	20	130 GGCGGATGTAGCCAAGTGGA
t0005717	24	128 GTCGTTGTAGTATAGTGGTAAGTA
t0005748	29	127 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTAGGATAATT
t0005750	27	127 GGGGATGTGGCGGAATGGCAGACGCGC
t0005772	19	127 GTTGAGATGGCCGAGTTGG
t0005851	23	125 GCGCCTGTAGCTCAGTGGATAGA
t0005867	20	125 GGGGATGTAGCTCAGATGGG
t0005937	25	123 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACG
t0005978	27	123 GCCCGGATGGTGGAATGCAGACACGGC
t0006013	19	122 GGGGGTGTAGCTCATATGG
t0006048	20	121 AGGGATATAACTCAGCGGTA
t0006062	20	121 GCGGATATGGTCGAATGGTA
t0006090	21	120 GGCGATGTAGCTCAGATGGTA
t0006105	28	120 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTAGGATAAT
t0006108	26	120 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGATTT
t0006116	28	120 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGCGAGCGCT
t0006136	19	120 GGGGATGTAGCTCAAATGG
t0006154	29	119 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGCACCT
t0006189	25	119 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGATT
t0006206	28	118 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCTCG
t0006212	26	118 GTCGTTGTAGTATAGTGGTAAGTATT
t0006237	28	118 CGGGGTGTAGCTCAGCCTGGTAGAGCGC
t0006286	28	117 GCGGGTGTAGTTAATGGTAGAACATCA
t0006306	28	117 GGGCGGTTAGCTCAGCGGTAGAGCACTG
t0006376	21	115 GTCGATATGTCCGAGTGGTTA
t0006393	29	115 GTCGTTGTAGTATAGTGGTAAGTATTCCC

t0006395	29	115 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAACTCATC
t0006398	29	115 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTCGAGCGCAA
t0006425	28	115 GGCGTTTGGTCTAGTGGTATGATTCTCG
t0006441	22	114 GTCTGGGTCGTGTAGTTGGTTA
t0006466	21	114 CTAGCGGTTAGGACATTGGAC
t0006502	21	114 GTGGTAGAGCATTGACTGCA
t0006538	27	113 GCGGAAATAGCTTAATGGTAGAGCATA
t0006574	27	113 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCAC
t0006622	22	112 GCGGGGTAGAGGAATTGGTCAA
t0006631	19	112 GTGTCGTGGTGTAGTTGGT
t0006656	22	111 CCGACCTTAGCTCAGTTGGCAG
t0006699	21	111 GGGGATGTAGCTCAGAGGTAG
t0006714	20	110 GTTGGTTAGGATACTCGGCT
t0006788	22	109 GGGAATGTAGCTCAGATGGTAG
t0006798	20	109 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGT
t0006847	23	108 AGCGGGGGAGAGGAATTGGTCAA
t0006852	22	108 AGTGGTAGAGCATTGACTGCA
t0006881	21	108 GGCGGATGTAGCCAAGTGGAT
t0006891	29	108 GCGAGGATGGCGGAATTGGTAGACGCGCT
t0006900	19	108 GGAGAGATGGCTGAGTGA
t0006906	20	107 GTGTCGTGGTGTAGTTGGTT
t0006936	23	107 GCGGACGTAGCGCAGCTGGTAGC
t0006938	20	107 GGAGAGATGGCTGAGTGGAC
t0007014	27	106 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCGC
t0007026	23	106 GTCGTTGTAGTATAGTGGTAAGT
t0007101	28	105 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCC
t0007109	26	105 GGTGTCGTCGTGTAGTTGGTTATCAC
t0007142	21	104 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGA
t0007155	21	104 GGGGATGTAGCTCAGATGGGA
t0007169	30	104 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCGCTCG
t0007191	22	103 GTGTCGTGGTGTAGTTGGTTAT
t0007216	24	103 GCGGGTGTAGCTCAGGGGTAGAGC
t0007263	27	102 GGCTCAGTGGTCTAGTGGTATGATTCT
t0007278	27	102 GTCGCTTTGGCCGAGTGGTTAAGGCTT
t0007286	22	102 GTCGTTGTAGTATAGTGGTAAG
t0007298	23	102 GTCTGGGTTGTGTAGTTGGTTAT
t0007341	22	101 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTC
t0007342	25	101 GGAGATGTAGCTCAGATGGTAGAGC
t0007359	26	101 GAGTGGCGCAGCGGAAGCGTGGTGGG
t0007397	23	101 TGGGATGTAGCTCAAACGGTAGA
t0007449	27	100 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCGC
t0007486	23	99 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTAGG
t0007489	23	99 GGGAATGTAGCTCAGATGGTAGA
t0007497	20	99 AGTCCCGTAGCTCAGTTGGT
t0007504	22	99 GGGGATGTAGCTCAGATGGTTT
t0007519	26	99 GCGGGTGTAGTTTAATGGTAGAACAT
t0007555	24	99 GTCTGGGTGGTGTAGTCGGTTATC
t0007573	29	98 GGCGTTTGGTCTAGTGGTATGATTCTCGC
t0007578	22	98 TCCGTTGTAGTCTAGGTGGTTA
t0007614	28	98 GGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTAG

t0007623	27	98 CGGGGTGTAGCTCAGCCTGGTAGAGCG
t0007645	31	97 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCGCTCGC
t0007682	28	97 GCCCAGATGGCGGAATTGGTAGACGCGC
t0007688	25	97 GCGGGGATAGCTCAGTTGGGAGAGC
t0007734	23	96 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGT
t0007756	28	96 GTCCGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGCT
t0007791	22	96 AGCGGTGTAGCTCAGTCGGTAG
t0007815	20	96 CTAGCGGTTAGGACATTGGA
t0007850	20	95 GACCGCATAGCGCAGTGGAT
t0007862	22	95 GGGGATGTAGCTCAGAGGTAGA
t0007888	25	95 GTCTGGGTGGTGTAGTCGGTTATCA
t0007911	21	94 GGGGATATGGCGAAATTGGTA
t0007923	25	94 GCGCCTGTAGCTCAGTGGATAGAGC
t0007935	25	94 GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAG
t0007990	20	94 TGGTAGAGCATTTGACTGCA
t0008017	27	93 CCGGTATGGTGTAGTGGCTAACATTC
t0008036	26	93 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCC
t0008059	29	93 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCCG
t0008064	19	93 TTGGTTAGGATACTCGGCT
t0008110	24	92 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAT
t0008148	23	92 GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCA
t0008156	30	92 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCCTG
t0008190	28	91 AGTGGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAA
t0008192	21	91 GACCGCATAGCGCAGTGGATT
t0008208	23	91 GTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATC
t0008244	25	91 GGTGTCGTAGTGTAGTTGGTTATCA
t0008262	24	90 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGAC
t0008279	23	90 TCCGTTGTAGTCTAGTTGGTTAG
t0008304	22	90 GGGATGTAGCTCAAACGGTAGA
t0008326	24	90 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTAGGA
t0008332	20	90 GTGGATGTAGCTCAGATGGT
t0008367	26	89 GCGGGTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGT
t0008385	21	89 GTGGATGTAGCTCAGATGGTA
t0008429	24	88 GGTGTCGTAGTGTAGTTGGTTATC
t0008440	29	88 CGGGGTGTAGCTCAGCCTGGTAGAGCGCT
t0008507	26	88 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCG
t0008508	22	88 GGCGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0008534	25	87 GGCTTTGGTCTAGCGGTATGATTCT
t0008544	29	87 GTCCGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGCTA
t0008561	28	87 GGGCCTGTAGCTCAGAGGATTAGAGCAC
t0008562	29	87 GCACTCGTAGCTTAACGGATAGAGCATCT
t0008764	20	85 GGGGATGTAGCTCAGATGGA
t0008828	28	85 GTGGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAAG
t0008906	26	84 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTTAGGA
t0008923	25	84 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTAGGAT
t0008934	23	84 GGTGTCGTAGTGTAGTTGGTTAT
t0008976	23	83 CCGACCTTAGCTCAGTTGGCAGA
t0008983	26	83 GGAGAGATGGCTGAGTGGACTAAAGC
t0008988	29	83 GGCTTTGTGGTCTAGCGGTATGATTCTCG
t0009026	27	83 AGCGGTGTAGCTCAGTCGGTAGAGCAA

t0009139	23	82 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGAA
t0009186	21	81 CGGGATGTAGCTCAGATGGTA
t0009235	24	81 GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAA
t0009265	22	81 GTCAGGATGGCCGAGTGGTCTA
t0009302	29	80 GCCCAGATGGCGGAATTGGTAGACGCGCA
t0009346	27	80 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGC
t0009427	22	79 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTAG
t0009524	29	78 GGGCGTTTGGTCTAGTGGTATGATTCTCG
t0009634	22	78 GGTGATGTAGCTCAAACGGTAG
t0009643	19	77 GGTGATGTAGCTCAGATGG
t0009660	26	77 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGAGTATT
t0009675	24	77 GTGGACGTGCCGGAGTGGTTATCG
t0009687	23	77 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGAGT
t0009688	24	77 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGAGTA
t0009690	28	77 GGAGAGATGGCTGAGTGGACTAAAGCGG
t0009704	26	77 GGGCGTTTGGTCTAGTGGTATGATTC
t0009748	27	77 GCGCTCGTGGCGGAATTGGTAGACGCG
t0009794	20	76 GCACTCGTAGCTTAACGGAT
t0009825	23	76 AGTGGTAGAGCATTGACTGCAG
t0009832	24	76 AGATTGAGGTTCTGGTCCGAAAGG
t0009916	24	75 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGTT
t0009946	27	75 GGTGGTTGTAGCTCAGTTGGTAGAGTC
t0009951	28	75 GGATGGATGTCTGAGCGTTGAAAGAGT
t0010001	23	75 GGGGATGTAGCTCAGAGGTAGAG
t0010009	27	75 AGTGGTAGAGCATTGACTGCAGATCA
t0010017	27	75 GCGGGGTAGAGGAATTGGTCAACTCAT
t0010064	25	74 CCGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGC
t0010072	19	74 GCGTTTGTAGTCCAACGGG
t0010078	24	74 GGGAATGTAGCTCAGATGGTAGAG
t0010091	18	74 GCGGGGTAGAGGAATTGG
t0010120	21	74 TGGGGTGTAGCTCATATGGTA
t0010123	26	74 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCC
t0010204	27	73 GGTGGCTGTAGCTCAGTTGGTAGAGTC
t0010246	23	73 CTAGTTGGTTAGGATACTCGGCT
t0010252	27	73 GCGGGTGTGGCGGAAGTGGTAGACGCA
t0010298	21	72 GCGGGTGTAGTTTAATGGTAG
t0010299	27	72 GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGC
t0010301	20	72 CGGGATGTAGCTCAGATGGT
t0010329	30	72 GGGGCTATAGCTCAGTTGGTTAGAGCGCAT
t0010360	27	72 GTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTAG
t0010386	21	72 GTGGCTGTAGTTTAGTGGTTA
t0010393	18	72 GGGATGTAGCTCAGATGG
t0010407	24	72 ACTTCTAATCAGGCGATTGTGGGT
t0010420	27	72 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCACT
t0010428	22	72 TTCGAATCCTGCTGTTCGACGCC
t0010478	23	71 GGAGTTGTAGCTCAAATGGTAGA
t0010480	19	71 TGGTTAGGATACTCGGCTC
t0010538	23	71 GGTAGAGCTGAGGACTGTAGATC
t0010616	20	70 GGTTCATGGTGTAGTGGTT
t0010629	28	70 GCCCAGGTGGCGGAAGTGGTAGACGCGC

t0010633	20	70 TGGGGCGTGGCCAAGCGGTA
t0010678	24	70 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAG
t0010726	24	69 TCCGGAGCGGGAGATTGTGGGTTC
t0010794	24	69 TGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAG
t0010798	24	69 TGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAG
t0010806	25	69 GGGGATGTAGCTCAAATGGTCGAGC
t0010877	25	68 TGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGC
t0010918	20	68 AGGGATGTAGCGCAGCTTGG
t0010927	28	68 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTTAGGATA
t0010946	22	68 GTCTGGGTAGTGTAGTTGGTTA
t0010985	25	68 TGGTAGAGCATTGACTGCAGATCA
t0011034	25	67 GGTGGCTGTAGTTTAGTGGTCAGAA
t0011040	30	67 GCGGCTGTAGCTCAGTTGGATAGAGTACTT
t0011051	21	67 CCGACCTTAGCTCAGTTGGCA
t0011057	23	67 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTCT
t0011065	19	67 GGGTCTGTAGCTCAGTCGG
t0011131	21	67 GTCAGGATGGCCGAGTGGTCT
t0011135	25	67 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAGC
t0011158	31	67 GGGGCTGTAGCTCAGATGGGAGAGCGCTGCA
t0011229	24	66 GTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCA
t0011345	29	66 GCGGGTGGCGGAATAGGCAGACGCGCTGG
t0011359	25	66 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAAAAA
t0011438	31	65 GGGATTGTAGTTCAATCGGTCAGAGCACCGC
t0011461	28	65 GCGGATATGGCGAAATTGGTAGACGTGC
t0011513	29	65 GAGGGCGTGGGTTCATCCCACCTTCTGACA
t0011547	22	64 GGAGTTGTAGCTCAAATGGTAG
t0011571	24	64 TGGTAGAGCATTGACTGCAGATC
t0011595	27	64 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGAACATC
t0011618	26	64 GGTGTCGTTGTGTAGTTGGTTATCAC
t0011625	26	64 GTGGTAGAGCATTGACTGCAGATCA
t0011656	23	64 GGCGGATGTGGCCAAGTGGATCA
t0011792	24	63 AGGGATGTAGCGCAGCTTGGTAGC
t0011912	24	63 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGA
t0011944	26	62 GGCGGATGTGGCCAAGTGGATCAAGG
t0011978	27	62 GGTCTGGTGGTCTAGTGGTATGATTCT
t0012004	26	62 GGTTCATGGTCTAGCGGTTAGGACA
t0012022	25	62 GTCGATATGTCCGAGTGGTTAAGGA
t0012063	25	62 GGCGACCCGGGTTCATATCCCGGCA
t0012072	26	62 GGGCCTGTAGCTCAGAGGATTAGAGC
t0012096	29	62 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCGCTC
t0012101	27	62 ACGGACTGTAAATTCGTTGACGATATG
t0012123	24	61 GTCGATATGTCCGAGTGGTTAAGG
t0012158	28	61 GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCA
t0012162	20	61 AGCAGAAGGCCGTAGGTTTCG
t0012175	27	61 GCGGGTGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGC
t0012282	31	61 GCACCAGTTGTCTAGTGGTAGAATAGTACCC
t0012339	26	60 CCGGATGGTGGAATGCAGACACGGCG
t0012342	24	60 GGAGTTGTAGCTCAAATGGTAGAG
t0012356	27	60 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGC
t0012368	28	60 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGAGTATTCC

t0012385	24	60 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGAAT
t0012398	29	60 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGCGAGCGCTA
t0012453	18	60 GTCGTTGTAGTATAGTGG
t0012460	28	60 GCGGATATGGTCGAATGGTAAAATTTCT
t0012471	20	60 GGGGATATGGCGAAATTGGT
t0012475	23	60 TGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGA
t0012481	21	60 GGAGGTATGGCTGAGTGGCTT
t0012482	26	60 GCGTTTGTAGTCCAACGGTAAGGATA
t0012488	19	59 GTCAGGATGGCCGAGTGGT
t0012508	22	59 GTGGTAGAGCATTGACTGCAG
t0012522	23	59 GGTGGCTGTATTTTAGTGGTTAG
t0012593	25	59 GCGGATATGGCGAAATTGGTAGACG
t0012596	28	59 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCGCT
t0012609	21	59 GTTGAGATGGCCGAGTTGGTC
t0012633	28	59 GGGCATTGTTGGTCTAGTGGTATGATTCTC
t0012643	21	59 GCCCCGTCTAGCTCAGTTGGTA
t0012648	20	59 GGTGGCTGTAGTTTAGTGGA
t0012678	27	59 GCGGGCGGCCCGGGTTCGTTTCCCGGC
t0012681	29	58 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCCTCG
t0012726	27	58 GCCCAGATGGCGGAATTGGTAGACGCG
t0012780	24	58 GGTAGAGCATTGACTGCAGATCA
t0012799	26	58 GGATGGATGTCTGAGCGGTTGAAAGA
t0012809	22	58 GGCGGATGTAGCCAAGTGGATC
t0012831	28	58 GCGGGAGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCA
t0012898	21	57 CAAGCAAGGACTCTACCACGC
t0012931	26	57 GCGGGTGTAGTTCAATGGTAGAACGG
t0012943	22	57 TGTGGCTGTAGTTTAGTGGTTA
t0012966	26	57 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGAACGG
t0013032	25	57 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGATC
t0013033	28	57 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCGC
t0013061	22	57 GTTGTAGTATAGTGGTGAGTAT
t0013154	28	56 GGTCTGGTTGTCTAGCGGTATGATTCTC
t0013249	23	56 CTCAGTTGGTAGAGCTGAGGACT
t0013289	20	56 CTCTCGGTAGCTCAGTTGGT
t0013305	29	56 GCGGGAGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCAA
t0013320	23	56 CAGTGGTAGAGCATTGACTGCA
t0013329	29	56 GCGTGAATGGTTTAGTGGTAAAATTCTCC
t0013361	26	56 GCCCAGATGGCGGAATTGGTAGACGC
t0013416	22	55 GGTAGAGCTGAGGACTGTAGAT
t0013455	22	55 TAAGCAGAAGGCCGTAGGTTCCG
t0013471	29	55 TGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTAG
t0013506	25	55 GGCGGTGTAGCTCAGCGGGAGAGCA
t0013507	26	55 GCGCCCTTCGTCTATCGGTTAGGACA
t0013514	27	55 GCGCGGATGGCGGAATTGGTAGACGCG
t0013517	30	55 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCTCTCG
t0013542	22	55 GTGGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0013553	23	55 GGGATGTAGCTCAAACGGTAGAG
t0013560	26	55 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCA
t0013576	27	55 GGGCATTGTTGGTCTAGTGGTATGATTCT
t0013606	30	54 GCACCAGTTGTCTAGTGGTAGAATAGTACC

t0013650	23	54 TGGGGTGTAGCTCATATGGTAGA
t0013668	27	54 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTCGACGCA
t0013680	23	54 GTCGATATGTCCGAGTGGTTAAG
t0013687	25	54 GGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAA
t0013697	29	54 GCGGTCGTGGCGGAATTGGTAGACGCGCA
t0013705	24	54 AGCGGTGTAGCTCAGTCGGTAGAG
t0013715	31	54 GAGGGCGTGGGTTCATATCCCACCTTCTGACA
t0013717	22	54 GTCGATATGTCCGAGTGGTTAA
t0013737	25	54 ACTTCTAATCAGGCGATTGTGGGTT
t0013765	23	54 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAAA
t0013787	24	54 GTCTGGGTTGTGTAGTTGGTTATC
t0013796	21	54 AGCGGTGTAGCTCAGTCGGTA
t0013822	20	54 GGGGATGTAGCTCAGAGGTA
t0013849	22	53 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGAG
t0013924	23	53 GGAGATGTAGCTCAAATGGTAGA
t0013995	26	53 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAGCG
t0014022	24	53 GCGGGGTAGAGGAATTGGTCAACT
t0014044	23	53 TCCGTTGTAGTCTAGGTGGTTAG
t0014051	24	53 TGGGGTGTAGCTCATATGGTAGAG
t0014069	27	53 TTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCT
t0014080	23	53 GCGGGTGTAGTTTAATGGTAGAA
t0014092	23	53 GGTGATGTAGCTCAAACGGTAGA
t0014096	24	53 TCCGTTGTAGTCTAGGTGGTTAGG
t0014170	30	52 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGCACCG
t0014183	21	52 CCGACCTTAGCTCAGTTGGTA
t0014214	28	52 GCGGATGTGGCGGAAGTGGTAGACGCGC
t0014250	27	52 GCGGGTGTAGTTCAGTAGTAGAACATC
t0014351	22	52 GCGGATATGGTCGAATGGTAAA
t0014372	29	52 TTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTA
t0014413	23	51 GTCAAGATGGCCGAGTTGGTCTA
t0014417	30	51 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCCTCGC
t0014429	27	51 GACTTCTAATCAGGCGATTGTGGGTTTC
t0014497	24	51 GGGGATGTAGCTCAAATGGTAGAA
t0014501	24	51 GGAGATGTAGCTCAAATGGTAGAG
t0014511	28	51 GCGGGTGTAGCTCAGTGGTAGAGCACGA
t0014522	29	51 GCGGATATGGTCGAATGGTAAAATTTCTC
t0014528	21	51 TGGTAGAGCATTTGACTGCAG
t0014538	29	51 GCGGGTGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCAA
t0014547	22	51 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGA
t0014561	28	51 CGGGATGTAGCTCAGCCTGGTAGAGCGT
t0014563	32	51 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGTACCCT
t0014586	25	51 GTCTGGGTTGTGTAGTTGGTTATCA
t0014617	22	51 TGGGGTGTAGCTCATATGGTAG
t0014675	27	50 GGCGTTTGGTCTAGTGGTATGATTCTC
t0014685	20	50 GTGGCTGTAGTTTAGTGGTA
t0014706	24	50 TCAGTGGTAGAGCATTTGACTGCA
t0014725	27	50 GCGGGTGTAGTTTAATGGTAGAACATC
t0014732	27	50 GCGGCTGTAGCTCAGTTGGATAGAGTA
t0014755	28	50 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCGCT
t0014783	24	50 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGTT

t0014792	27	50 AGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTAGGT
t0014954	24	49 AGTGGTAGAGCATTGACTGCAGA
t0014979	28	49 GCGGGTGGCGGAATAGGCAGACGCGCTG
t0014998	29	49 GCTCGGATGGTGAAATTGGTAGACACGCT
t0015052	23	49 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGT
t0015087	27	49 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCG
t0015097	24	49 GGGCCTGTAGCTCAGAGGATTAGA
t0015107	24	49 CCGGATGGTGGAATGCAGACACGG
t0015119	22	49 CGGGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0015131	18	49 GTGGCTGTAGTTTAGTGG
t0015286	27	48 GCGTTTGTAGTCCAACGGTAAGGATAA
t0015304	19	48 CTAGCGGTTAGGACATTGG
t0015313	22	48 GGGGGTGTAGCTCATATGGAAG
t0015323	26	48 GGGTCCATAGCTCAGTGGTAGAGCAT
t0015351	22	48 GCGGGTGTAGTTTAATGGTAGA
t0015358	23	48 CCGACCTTAGCTCAGTTGGTAGA
t0015393	28	48 GCGGACGTAGCGCAGCTGGTAGCGCATC
t0015432	24	48 TCCGTGTAGTCTAGTTGGTTAGG
t0015433	21	48 TCCGGAGCGGGAGATTGTGGG
t0015450	27	48 AGGACATTGGACTCTGAATCCAGTAAC
t0015476	25	48 GGGCCTGTAGCTCAGAGGATTAGAG
t0015529	27	48 GGCGGTGTAGCTCAGATGGCAGAGCAA
t0015652	22	47 AGGGATGTAGCGCAGCTTG GTA
t0015668	31	47 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGCACCTGC
t0015682	18	47 GGTGTCGTGGTGTAGTTG
t0015735	19	47 GGGGATGTAGCTCAGAGGT
t0015777	22	47 CCGACCTTAGCTCAGTTGGTAG
t0015796	21	47 GCACTCGTAGCTTAACGATA
t0015876	28	47 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCG
t0015926	26	46 GGTGGCTGTAGCTCAGTTGGTAGAGT
t0015949	25	46 GGCGGATGTGGCCAAGTGGATCAAG
t0015976	26	46 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCG
t0016075	25	46 GGGTCCATAGCTCAGTGGTAGAGCA
t0016100	28	46 GGCATTGGTCTAGTGGTATGATTCTCG
t0016157	22	46 GGCGGATGTGGCCAAGTGGATC
t0016164	23	46 GGAGGTATGGCTGAGTGGCTTAA
t0016184	26	46 GGGCATTGGTCTAGTGGTATGATTC
t0016186	23	46 GTGGTAGAGCATTGACTGCAGA
t0016190	22	46 CAGTTGGTAGAGCTGAGGACTG
t0016278	26	45 ACTTCTAATCAGGCCGATTGTGGGTTC
t0016284	28	45 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCA
t0016294	21	45 TGGGATGTAGCTCAGATGGTC
t0016295	30	45 GCCCGGATGGTGGAATGCAGACACGGCGAG
t0016302	23	45 GTGGATGTAGCTCAGATGGTAGA
t0016325	24	45 GCGGGTGTAGCTCAATGGTAGAGC
t0016350	23	45 TGGGATGTAGCTCAAATGGTAGA
t0016444	23	45 TCCGGAGCGGGAGATTGTGGGTT
t0016526	27	45 GCGGATATGGCGAAATTGGTAGACGTG
t0016567	27	45 CGGGATGTAGCTCAGCCTGGTAGAGCG
t0016610	24	44 GTTCGTGCCCCACGGTGGGCGCCA

t0016614	24	44 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAA
t0016630	22	44 CTCGAGAGAGGGCGTGGGTTCA
t0016639	29	44 TGGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAAGAG
t0016649	25	44 TGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGC
t0016817	25	44 CCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGTA
t0016837	21	44 AGCAGAAGGCCGTAGGTTCTG
t0016867	29	44 GGTCTGTAGTTCGTTCTGCATGGGGGCA
t0016930	24	44 GTGGATGTAGCTCAGATGGTAGAG
t0016943	23	44 GCGCATCTGGTGTAGTGGTATCA
t0016992	26	43 TCCGGTATGGTGTAGTGGCTAACATT
t0017121	24	43 GGTGGCTGTAATTTAGTGGTTAGA
t0017127	22	43 TCCGGAGCGGGAGATTGTGGGT
t0017148	28	43 GTGGGTTCTGTGCCCCACGGTGGGCGCCA
t0017160	24	43 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAAAA
t0017197	27	43 TGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTT
t0017229	28	43 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGAACGGCA
t0017247	32	43 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCACCTGCT
t0017307	25	43 GCGGACCCGGGTTTCAATCCCGGCA
t0017337	27	42 GGATGGATGTCTGAGCGGTTGAAAGAG
t0017395	18	42 TGGTTAGGATACTCGGCT
t0017399	22	42 GTCAAGATGGCCGAGTTGGTCT
t0017451	24	42 GCGCGGATGGCGGAATTGGTAGAC
t0017458	28	42 GTCGTTGTAGTATAGTGGTAAGTATTCC
t0017505	19	42 TCCATTGTCTGTCTAGTCCG
t0017515	21	42 GCGTTTGTAGTCCAACGGTAC
t0017522	25	42 CTAGTTGGTTAGGATACTCGGCTCT
t0017578	26	42 GCGGGTGTAGCTCAATGGTAGAGCAG
t0017618	21	42 GGGGATGTAGCTCATATGGTA
t0017646	27	42 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTCGAGCGC
t0017647	28	42 GTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTAGG
t0017737	23	41 CTTCTAATCAGGCGATTGTGGGT
t0017845	28	41 GGGGCTATAGCTCAGCTGGGAGAGCGCT
t0017854	19	41 GGTCTATGGTGTAGTGGT
t0017911	22	41 GGAGATGTAGCTCAAATGGTAG
t0017943	31	41 GCACCAGTAGTCTAGTGGTAGAATAGTACCC
t0017956	27	41 GGGTCCATAGCTCAGTGGTAGAGCATT
t0017972	26	41 GGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAAG
t0018000	20	41 GGTCCCGTAGCTCAGTTGGT
t0018002	22	41 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTT
t0018023	22	41 GTTGTAGTATAGTGGTAAGTAT
t0018097	23	41 GCGCCTGTAGCTCAGTGGACAGA
t0018170	25	40 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGAATA
t0018182	24	40 GGCGGATGTGGCCAAGTGGATCAA
t0018242	24	40 GTGGTAGAGCATTTGACTGCAGAT
t0018246	29	40 GGGCCTGTAGCTCAGAGGATAGAGCACGT
t0018268	21	40 TGTGGCTGTAGTTTGTAGTGGTA
t0018311	23	40 CGGGATGTAGCTCAGATGGTAGA
t0018325	18	40 GGGGATGTAGCTCAGATG
t0018365	24	40 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGAAC
t0018378	22	40 GGGGTGTAGCTCATATGGTAGA

t0018397	21	40 GGAGATGTAGCTCAAATGGTA
t0018416	28	40 GGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAAGAG
t0018456	29	40 GGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTAGG
t0018503	28	40 GGCTCAGTGGTCTAGTGGTATGATTCTC
t0018510	22	40 GGGGATGTAGCTCATATGGTAG
t0018512	31	40 CCCCTGTAGCTCAATTGGCAGAGCAGCCGGC
t0018528	28	40 CGGGGTGTAGCTCAGCCTGGTAGAGCAC
t0018569	22	40 TGGTAGAGCTGAGGACTGTAGA
t0018592	25	39 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGAACA
t0018609	27	39 GGGGCGGTAGCTCAGCCGGTTAGAGCA
t0018658	28	39 GCGGGTGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCG
t0018704	22	39 CGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTA
t0018712	26	39 GGCGTTTGGTCTAGTGGTATGATTCT
t0018741	22	39 GGGGATATGGCGAAATTGGTAG
t0018756	26	39 GGTGGTTGTAGCTCAGTTGGTAGAGT
t0018792	21	39 GCGCGGATGGCGGAATTGGTA
t0018843	20	39 TGGTTAGGATACTCGGCTCT
t0018899	29	39 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGCGAGCGCCT
t0018908	24	39 GCGGAAGTAGCTCAGTTGGTAGAG
t0018954	29	39 GGGGCTATAGCTCAGTTGGTTAGAGCGCA
t0018959	22	39 TCCGGTATGGTGTAGTGGCTAA
t0018988	23	39 GGGCCTGTAGCTCAGAGGATTAG
t0019024	26	38 GTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTTA
t0019029	22	38 TAGTTGGTTAGGATACTCGGCT
t0019052	28	38 GCAATAGACCCGGGTTCCGGCTCCCGGCA
t0019183	26	38 GAGTTGCGCAGCGGAAGCGTGGTGGG
t0019217	23	38 GTCTGGGTCGTGTAGTTGGTTAT
t0019246	23	38 ACTTCTAATCAGGCGATTGTGGG
t0019295	22	38 TCAGTTGGTAGAGCTGAGGACT
t0019298	27	38 CCGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGCTA
t0019302	23	38 CTAAGCAGAAGGCCGTAGGTTCTG
t0019392	23	38 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGAA
t0019449	28	38 GCCCGGATGGCGGAATTGGTAGACGCGC
t0019516	30	37 GGGGCTGTGGCGCAGACTGGTAGCGCACCT
t0019602	19	37 GGCGATGTAGCTCAGATGG
t0019700	22	37 AGCGGGGGAGAGGAATTGGTCA
t0019705	23	37 GGGGATGTAGCTCATATGGTAGA
t0019716	28	37 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGAACATCA
t0019721	28	37 GCGGGTGTAGTTCAATGGTAGAACGCTA
t0019724	21	37 AGGGATGTAGCTCAGATGGTA
t0019818	31	37 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCTCTCGC
t0019831	20	37 GCAGAAGGCCGTAGGTTCTG
t0019914	24	37 CAGTGGTAGAGCATTTGACTGCAG
t0019915	24	37 GCGCGGGTGGCGGAATAGGCAGAC
t0019950	29	37 CGGGGTGTAGCTCAGCCTGGTAGAGCACT
t0019953	24	37 GGTGATGTAGCTCAAACGGTAGAG
t0019956	22	37 GGGGATGTAGCTCAGACGGTAG
t0019980	23	37 AGCGGGGTATAGGAATTGGTCAA
t0019989	25	37 AGTGGTAGAGCATTTGACTGCAGAT
t0020001	24	37 TGGGATGTAGCTCAAATGGTAGAG

t0020010	19	37 GCGAGAGGTACGGGGATCG
t0020047	24	37 TGTGGCTGTAGTTTAGTGTTAGA
t0020093	25	36 GGGATTGTAGTTCAATCGGTCAGAG
t0020151	22	36 GTGGCTGTAGTTTAGTGTTAG
t0020232	23	36 GGGGATATGGCGAAATTGGTAGA
t0020279	28	36 GTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCT
t0020322	28	36 GGGGCTATAGCTCAGTTGGAAGAGCGCT
t0020349	28	36 GGGGGTATAGCTCAGCTGGGAGAGCGCT
t0020358	23	36 GGGGATGTAGCTCAGACGGTAGA
t0020359	28	36 GTGGACGTGCCGGAGTGTTATCGGGCA
t0020372	25	36 GGTGGCTGTAATTTAGTGTTAGAA
t0020417	28	36 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGCACC
t0020432	27	36 GATTTAGGCTCTGGTCCGAAAGGGCGT
t0020482	23	36 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCCA
t0020520	31	36 GGTACAGACCCGGGTTTCGTTTCCCGGCTGGT
t0020525	23	36 TGGTAGAGCATTGACTGCAGAT
t0020539	27	36 AGGGGTGTAGCTCAATTGGCAGAGCAG
t0020569	23	36 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTAGA
t0020575	28	36 CGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCAA
t0020645	29	36 GTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTT
t0020655	20	35 AGCGGGGTAGAGGAATTGGA
t0020659	29	35 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCGCTC
t0020703	23	35 TTCGTGCCCCACGGTGGGCGCCA
t0020724	20	35 GGGGATGTAGCTCAGATGGC
t0020730	24	35 CTTCTAATCAGGCGATTGTGGGTT
t0020775	26	35 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCA
t0020780	27	35 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGAACGGC
t0020784	26	35 GTGGACGTGCCGGAGTGTTATCGGT
t0020798	30	35 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCTCTCG
t0020830	29	35 TCCATTGTCTGTCTAGTCCGGTTAGGATAC
t0020940	25	35 GCGCCCTTCGTCTATCGGTTAGGAC
t0020975	29	35 CGGGGTGTAGCTCAGTCTGGTAGAGCGCT
t0020985	25	35 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGAACG
t0021025	28	35 GCGGGTGACCCGGGTTTCGTTCCCCGGCA
t0021044	22	35 GCGGGGATAGCTCAGTTGGGCG
t0021047	27	35 GCGGTCTGTGGCGGAATTGGTAGACGCG
t0021095	27	35 GTCTGGTGGTCTAGCGGTATGATTCTC
t0021130	28	35 GGGGCGGTAGCTCAGCCGGTTAGAGCAG
t0021133	26	35 AGGGGTGTAGCTCAATTGGCAGAGCA
t0021152	28	35 GGGGCTGTAGCTCAGATGGGAGAGCGCT
t0021158	25	35 GGGGATATGGCGAAATTGGTAGACG
t0021162	28	35 GCGTTTGTAGTCCAACGGTAAGGATAAT
t0021194	28	35 GCGGGTGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCA
t0021312	23	34 GGTAGGATACTCGGCTCTCACC
t0021331	27	34 GCCGGTGTAGCTCAGTTGGTAGAGCAG
t0021343	27	34 GAGCTGAGGACTGTAGATCCTTAGGTC
t0021351	23	34 GGGGATGTAGCTCAGATGGTGAG
t0021416	21	34 TCGAATCCTGCTGTCGACGCC
t0021418	22	34 GCGGACGTAGCGCAGCTGGTAG
t0021434	24	34 CTCAGTTGGTAGAGCTGAGGACTG

t0021447	27	34 CCGGATGGTGAATGCAGACACGGCGA
t0021474	21	34 TAAGCAGAAGGCCGTAGGTTT
t0021518	23	34 AGCGGTGTAGCTCAGTCGGTAGA
t0021579	25	34 CCGGATGGTGAATGCAGACACGGC
t0021718	24	34 GGGGATGTAGCTCATATGGTAGAG
t0021742	25	34 GAGCGGAGGACTGTAGATCCTTAGG
t0021759	30	34 CGGGGTGTAGCTCAGCCTGGTAGAGCACTA
t0021775	24	34 GCGCCTGTAGCTCAGTGGATAGAG
t0021780	24	34 GGGGGTGTAGCTCATATGGTAGAA
t0021781	22	34 GGAGGTATGGCTGAGTGGCTTA
t0021784	29	34 GGGCCTGTAGCTCAGAGGATTAGAGCACG
t0021859	27	33 GGGCCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGC
t0021985	24	33 GGGGATATGGCGAAATTGGTAGAC
t0022043	25	33 GTGGCTGTAGTTTAGTGGTTAGAAT
t0022071	23	33 GGGTCCATAGCTCAGTGGTAGAG
t0022099	23	33 TGGTAGAGCTGAGGACTGTAGAT
t0022121	29	33 CAGTGGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAA
t0022160	29	33 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCCT
t0022186	24	33 GGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGC
t0022284	21	33 GCGAGAGGTACGGGGATCGTT
t0022287	21	33 GTGGCTGTAGTTTAGTGGTAA
t0022397	29	33 GGAGTCGTGACCGAGTGGCCGAAGGTGCT
t0022470	27	33 GGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTTA
t0022482	23	33 TTGCGAGAGGTACGGGGATCGTT
t0022526	28	32 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCAT
t0022631	26	32 GGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTT
t0022636	26	32 GCGGGTGTAGCTCAGGGGTAGAGCAC
t0022665	28	32 GGGTCTGTAGCTCAGTTGGTCAGAGCGC
t0022679	30	32 CGGGGTGTAGCTCAGCCTGGTAGAGCGCTA
t0022720	26	32 TGGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCT
t0022784	27	32 GCACTCGTAGCTTAACGGATCGAGCAT
t0022814	25	32 GCGGATATGGTCGAATGGTAAAATT
t0022836	21	32 GGGGATGTAGCTCAGATGGTG
t0022838	25	32 CTCAGTTGGTAGAGCTGAGGACTGT
t0022860	29	32 CGGGCTGTAGCGCAGCTTGGTAGCGCACT
t0022894	24	32 CCGACCTTAGCTCAGTTGGCAGAG
t0022907	21	32 GTTGTCGTGGTGTAGTTGGTT
t0022983	21	32 CCGGAGCGGGAGATTGTGGGT
t0023019	30	32 GCCCTTTTAACTCAGCGGTAGAGTAACGCC
t0023111	19	32 CGGGGTAGAGGAATTGGTC
t0023122	20	32 GTGGCTGTAGTTTAGTGGTT
t0023202	27	31 GCCCCAATAGCTCAGTCGGCAGAGCGT
t0023247	28	31 GGAGTGGTAGTTCAGTCGGTTAGAATAC
t0023358	23	31 GGTGGCTGTAATTTAGTGGTTAG
t0023394	29	31 GTGGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAAGA
t0023417	21	31 TGGGATGTAGCTCAAATGGTA
t0023428	26	31 GCGGATATGGTCGAATGGTAAAATTT
t0023468	31	31 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCGCTCGC
t0023502	18	31 GGGGTGGTGGCGCAGTTG
t0023506	25	31 GACTTCTAATCAGGCGATTGTGGGT

t0023517	27	31 GGAGTCGTGACCGAGTGGCCGAAGGTG
t0023556	23	31 GGGGTGTAGCTCATATGGTAGAG
t0023618	27	31 GCGGGCGTGGCGGAATTGGTAGACGCG
t0023667	21	31 GCGCCTGTAGCTCAGTGGAGA
t0023680	27	31 TCCGGAGTAGCTCAGTGGTAGAGCAGG
t0023691	27	31 GCGGGTGTAGTTCAATGGTAGAACGGC
t0023806	28	31 AGGGGTGTAGCTCAATTGGCAGAGCAGC
t0023866	25	31 AGCGGTGTAGCTCAGTCGGTAGAGC
t0023934	26	31 AGCGGTGTAGCTCAGTCGGTAGAGCA
t0023953	30	30 CGGGGTGTAGCTCAGTCTGGTAGAGCGCTA
t0023982	23	30 GGGGATGTAGCTCAGATGGGAGA
t0024041	26	30 CGGGGTGTAGCGCAGCTTGGCAGCGC
t0024054	29	30 GGGTCTGTAGCTCAGTTGGTTAGAGCACC
t0024067	29	30 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGTCT
t0024151	29	30 GCCCAGGTGGCGGAAGTGGTAGACGCGCT
t0024279	27	30 GGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAAGA
t0024380	30	30 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTCGAGCGCAAC
t0024416	19	30 GGGGTGGTGGCGCAGTTGG
t0024424	26	30 TGGTAGAGCATTTGACTGCATATCAA
t0024436	20	30 GGA CTAGACGACAATGGAAA
t0024455	24	30 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAAA
t0024497	24	30 GTCTGGGTCGTGTAGTTGGTTATC
t0024503	22	30 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAT
t0024519	21	30 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTT
t0024548	23	30 AGATTTGAAATCTGTTGGGCTTC
t0024554	20	30 CCGACCTTAGCTCAGTTGGC
t0024559	21	30 CGTGTCGTGGTGTAGTTGGTT
t0024563	27	30 GCGGATGTGGCGGAAGTGGTAGACGCG
t0024656	26	30 GACTTCTAATCAGGCGATTGTGGGTT
t0024665	25	30 GGAGTCGTGACCGAGTGGCCGAAGG
t0024698	20	30 CCGAAAGGGCGTGGGTTCAT
t0024803	28	29 GCCCCCGTTGTGTAGCGGCCTAGCACGC
t0024844	22	29 GTTGTCGTGGTGTAGTTGGTTA
t0024948	25	29 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGT
t0024966	29	29 TCCCCTGTAGCTCAATTGGCAGAGCAGCC
t0024977	21	29 GCGGGTGTAGTTCAGTGGTAG
t0024999	23	29 AGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTA
t0025016	22	29 TGGGATGTAGCTCAAATGGTAG
t0025030	20	29 GGGGTGTAGCTCATATGGTA
t0025067	20	29 GCCCGTCTAGCTCAGTTGGT
t0025148	29	29 GGGGATATAGCTCAGCTGGGAGAGCGCGT
t0025154	26	29 GGAGTCGTGACCGAGTGGCCGAAGGT
t0025202	27	29 GTGGACGTGCCGAGTGGTTATCGGGC
t0025224	24	29 GGGATTGTAGTTCAATCGGTCAGA
t0025262	29	29 GCGGGTGTAGTTTAATGGTAGAACATCAG
t0025266	30	29 AGGGGCATAGCTCAATTGGCAGAGCGTCGG
t0025284	21	29 GGGTTGTAGCTCAAATGGTAG
t0025309	22	29 AGTTGGTAGAGCTGAGGACTGT
t0025322	26	29 GGGTTCGTGCCCCACGGTGGGCGCCA
t0025350	29	29 GGGTCTGTAGCTCAGCTGGTTAGAGCACC

t0025353	28	29 GGTGGTTGTAGCTCAGTTGGTAGAGTCC
t0025547	23	29 GCGGATATGGTCGAATGGTAAAA
t0025564	25	29 GCCCAGATGGCGGAATTGGTAGACG
t0025578	25	29 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAAA
t0025603	22	28 CGGGGTGTAGCGCAGCTTGGCA
t0025652	28	28 TGGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTTA
t0025657	20	28 GCACCAGTTGTCTAGTGGTA
t0025678	24	28 CTAGTTGGTTAGGATACTCGGCTC
t0025733	26	28 GTCCGGGTGGCGGAATGGCAGACGCG
t0025735	20	28 GCGGGTGTAGTTTAATGGTA
t0025747	28	28 GTCTGTAGTTCGTTCTGCATGGGGGCA
t0025792	24	28 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAAT
t0025808	25	28 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAATT
t0025853	23	28 TAAGCAGAAGGCCGTAGGTTTCGT
t0025922	23	28 AGGGATGTAGCGCAGCTTGGTAG
t0025931	27	28 TAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTAGG
t0025940	24	28 GGGTGTAGTTTAATGGTAGAACAT
t0026097	26	28 GCTCAGTGGTAGAGCATTGACTGCA
t0026108	26	28 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAACTT
t0026130	26	28 GCCCTCATCGTCTAGCGGCCTAGGAC
t0026173	20	28 AGCGGTGTAGCTCAGTCGGT
t0026187	23	28 ATTTGAAATCTGTTGGGCTTCGC
t0026203	25	28 TCCGGTATGGTGTAGTGGCTAACAT
t0026269	24	28 GGGGACGTAGCTCAGCTGGGAGAG
t0026290	21	28 GGGGATGTAGCTCAGATGGAA
t0026317	24	28 GGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGC
t0026372	21	28 GCGGAATAGGCAGACGCGCTG
t0026396	22	28 AGTTGGTTAGGATACTCGGCTC
t0026398	23	28 GCGGGGTAGAGGAATTGGTCAAC
t0026474	29	28 GCGGCTGTGGTGGAAGTGGTAGACACGCT
t0026487	25	27 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGT
t0026499	22	27 CTAGTTGGTTAGGATACTCGGC
t0026538	20	27 GGTAGAGCATTGACTGCAG
t0026544	20	27 GGAGGTATGGCTGAGTGGCT
t0026656	29	27 CGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGCTAGCT
t0026669	23	27 GTCTGGGTAGTGTAGTTGGTTAT
t0026702	24	27 GCGGATATGGTCGAATGGTAAAAT
t0026734	22	27 CTCTAATCAGGCGATTGTGGG
t0026777	24	27 GCGGGAGTAGCTCAGTTGGTAGAG
t0026948	26	27 GGGGATGTAGCTCAGATGGTCGAGCT
t0026960	19	27 CGAAAGGGCGTGGGTTTCAT
t0026993	27	27 GCTTTGTGGTCTAGCGGTATGATTCTC
t0026995	26	27 GGGGACGTAGCTCAGCTGGGAGAGCG
t0027035	25	27 CGCGGGGTAGAGCAGTTTGGTAGCT
t0027103	20	27 AGGATACTCGGCTCTCACCC
t0027144	25	27 GCGGGTGTAGCTCAGTTGGTAGAGC
t0027145	19	27 AACTGAAGGTCTCCGGTT
t0027151	26	27 GCGCTCGTGGCGGAATTGGTAGACGC
t0027164	24	27 GGTGTTGTAGCTCAAATGGTAGAG
t0027197	23	27 GTTGAGATGGCCGAGTTGGTCTA

t0027232	19	27 CGGGATGTAGCTCAGATGG
t0027243	22	27 GTTGGTAGAGCTGAGGACTGTA
t0027369	22	27 CTAGCGGTTAGGACATTGGACT
t0027437	21	27 GGTAGAGCATTGACTGCAGA
t0027464	22	26 CTCAGTTGGTAGAGCTGAGGAC
t0027483	25	26 GGCGACCCGGGTTCAAATCCCGGCA
t0027509	27	26 GGGCGGTTAGCTCAGCGGTAGAGCACT
t0027512	26	26 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTCATCAC
t0027515	30	26 GCCGGTGTAGCTCAGCTGGCTAGAGCAGCT
t0027624	23	26 TCAGTTGGTAGAGCTGAGGACTG
t0027702	28	26 GGCTGGTGGTCTAGTGGTATGATTGTC
t0027754	26	26 GCGGATATGGCGAAATTGGTAGACGT
t0027807	25	26 GTGGACGTGCCGGAGTGTTATCGG
t0027842	25	26 GGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCT
t0027915	23	26 GGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAG
t0027942	26	26 GTGGCTGTAGTTTAGTGGTTAGAAATT
t0027983	26	26 GGGTGTAGTTTAATGGTAGAACATCA
t0028046	25	26 TCCGGAGCGGGAGATTGTGGGTTTCG
t0028071	20	26 CGAAAGGGCGTGGGTTTCATA
t0028083	19	26 GACCGCATAGCGCAGTGGA
t0028106	22	26 GCGGGTGTAGTTCAGTAGTAGA
t0028117	24	26 CCGACCTTAGCTCAGTTGGTAGAG
t0028134	25	26 CAGTGGTAGAGCATTGACTGCAGA
t0028200	22	26 GGGGATGTAGCTCAGATGGTGG
t0028202	19	26 GGGGATATGGCGAAATTGG
t0028230	26	26 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGCA
t0028257	22	26 GGCGTCGTGGTGTAGTTGGTTA
t0028277	24	26 GCGGGTGTAGTTTAATGGTAGAAC
t0028292	19	26 GGATGTAGCTCAGATGGTA
t0028313	27	26 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCCT
t0028318	27	26 CCCCCTGTGTAGCGGCCTAGCACGCC
t0028340	27	26 GGGGCTGTAACCTCAGTGGTAGAGTTCT
t0028383	19	26 TGTGTTCGTGGTGTAGTTGG
t0028393	26	26 GTCTGGTGGTCTAGCGGTATGATTCT
t0028517	26	25 GCGCGGGTGGCGGAATAGGCAGACGC
t0028577	28	25 GGGTCTGTAGCTCAGTTGGTTAGAGCAC
t0028588	24	25 AGTTCGAATCTCTCAGGCGACGCC
t0028608	23	25 GGGATTGTAGTTCAATCGGTCAG
t0028615	29	25 GGGGCGGTAGCTCAGCCGGTTAGAGCAGC
t0028639	21	25 GGGATGTAGCTCAAATGGTAG
t0028644	26	25 GCGGACGTAGCGCAGCTGGTAGCGCA
t0028672	30	25 GCGGAAATAGCTTAATGGTAGAGCATAGCC
t0028684	23	25 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGC
t0028686	26	25 GGCATTTGGTCTAGTGGTATGATTCT
t0028765	25	25 GGTTCATATGGTCTAGCGGTTAGGAC
t0028782	28	25 GGCTTGTGGTCTAGTAGTATGATTCTT
t0028815	29	25 GGGCATTTGGTCTAGTGGTATGATTCTCG
t0028834	24	25 CAGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTA
t0028909	31	25 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCTCTCGC
t0029023	27	25 GCGCATCTGGTGTAGTGGTATCATAGT

t0029100	22	25 TGGTAGAGCATTTGACTGCAGA
t0029129	26	25 GGGATTGTAGTTCAATCGGTCAGAGC
t0029153	28	25 GCCCCGATGGTGGAATGCAGCCACGGCG
t0029172	21	25 TGTGGCTGTAGTTTAGTGGTT
t0029186	27	25 GCGGATATGGTCGAATGGTAAAATTTT
t0029257	24	25 CGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAG
t0029280	23	25 GGGGGTGTAGCTCAGCTGGGAGA
t0029305	28	25 ACGGACTGTAAATTCGTTGACGATATGT
t0029310	31	25 GAGGGCGTGGGTTCAGATCCCACCTTCTGACA
t0029311	24	25 GCCCAGATGGCGGAATTGGTAGAC
t0029332	29	25 AGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCT
t0029345	29	25 GGGGCTATAGCTCAGCTGGGAGAGCGCTT
t0029370	24	25 GGGGATGTAGCTCAGACGGTAGAG
t0029381	27	25 GGAGTGGTAGTTCAGTCGGTTAGAATA
t0029432	25	25 GTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTT
t0029442	29	25 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCTCTC
t0029448	24	25 GCGTTTGTAGTCCAACGGTAAGGA
t0029457	26	25 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAG
t0029483	26	25 GCACTCGTAGCTTAACGGATAGAGCA
t0029542	24	25 TGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATC
t0029589	28	25 GCGGGTGTAGTTCAATGGTAGAACGGCA
t0029659	26	24 GGTGGGTGTAGCTCAGCTGGTAGAGC
t0029700	28	24 GCGGCTGTGGTGGAACGGTAGACACGC
t0029709	20	24 AGGTGGTTAGGATACTCGGC
t0029716	26	24 GCGGATGTGGCGGAACGGTCGACGC
t0029793	27	24 GCACCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGT
t0029824	25	24 TCCGTTGTAGTCTAGTTGGTTAGGA
t0029882	26	24 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCG
t0029896	25	24 GTCGTTGTAGTATAGTGGTACGTAT
t0029931	20	24 TGCGGATGTAGCCAAGTGGA
t0029949	24	24 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAAAG
t0029952	20	24 AAGCAAGGACTCTACCACGC
t0029963	23	24 CCGGAGCGGGAGATTGTGGGTTC
t0029979	21	24 GGTCTATGGTGTAGTGGTTA
t0030017	30	24 GCCCAGATGGCGGAATTGGTAGACGCGCAG
t0030021	28	24 GCGTGAATGGTTTAGTGGTACAATTCTC
t0030043	25	24 GCGCATCTGGTGTAGTGGTATCATA
t0030058	26	24 GGAGGTATGGCTGAGTGGCTTAAGGC
t0030087	21	24 GCCCAATAGCTCAGTCGGCA
t0030185	20	24 TCCGGAGCGGGAGATTGTGG
t0030200	26	24 TGGTAGAATAGTACCCTGCCACGGTA
t0030206	27	24 GGGGATATGGCGAAATTGGTAGACGCT
t0030277	28	24 GGAGAGATGGCTGAGTGGACTAAAGCAG
t0030337	20	24 GCGCCTGTAGCTCAGTGGAT
t0030363	24	24 GTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCT
t0030418	28	24 GCGTTTGTAGTCCAACGGTCAGGATAAT
t0030634	20	24 GGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0030670	27	24 GCGGAAGCGTGGTGGGCCCATACCCA
t0030678	22	24 GGTAGAGCATTTGACTGCAGAT
t0030745	22	24 GGCGGAATAGGCAGACGCGCTG

t0030786	24	24 GCGGGTGTAGCTCAGTTGGTAGAG
t0030794	25	24 GGTGATGTAGCTCAGATGGTAGAGC
t0030890	28	23 GCGCGGTAGCAAAGCGTTATGCCCCG
t0030950	29	23 GGGTCTGTAGCTCAGCTGGTTAGAGCACT
t0030961	19	23 GGGGATGTAGCTCATGGTA
t0030977	29	23 GGGTGTAGTTAATGGTAGAACATCAGCT
t0030981	25	23 GGTTCGTGCCCCACGGTGGGCGCCA
t0031013	21	23 GCGGGGATAGCTCAGTTGGGC
t0031051	28	23 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGCGCT
t0031091	19	23 GCGGGGATAACTCAGTTGG
t0031245	24	23 AGATTTGAAATCTGTTGGGCTTCG
t0031301	22	23 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCC
t0031306	19	23 GGGGATGTAGTTCAGATGG
t0031311	24	23 GTGGCTGTAGTTTAGTGGTTAGAA
t0031332	27	23 GCGGGCGTAGCTCAGGGGTAGAGCACA
t0031397	24	23 GGTCCGGTGGTGTAGTTGGTTATC
t0031435	30	23 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCTAG
t0031487	26	23 GCGCATCTGGTGTAGTGGTATCATAG
t0031521	29	23 GGGTCTGTAGCTCAGTTGGTCAGAGCGCA
t0031557	25	23 GGTGGTTGTAGCTCAGTTGGTAGAG
t0031589	26	23 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGTT
t0031607	27	23 GAGTGGCGCAGCGGAAGCGTGGTGGGC
t0031626	27	23 GCGCGGTAGCAAAGCGTTATGCCCC
t0031635	25	23 GCGTTTGTAGTCCAACGGTAAGGAT
t0031709	24	23 TCTAGTTGGTTAGGATACTCGGCT
t0031767	19	23 AGGGATATAACTCAGCGGT
t0031793	21	23 TGGTTAGGATACTCGGCTCTC
t0031800	28	23 GGGTGTAGTTAATGGTAGAACATCAGC
t0031803	20	23 GGGTCCATAGCTCAGTGGTA
t0031848	24	23 TGTGTCGTTGTGTAGTTGGTTATC
t0031900	23	23 AGGGATATAACTCAGCGGTAGAG
t0031905	28	23 TCCGGTGGTGTAGTTGGTTATCACGTCA
t0031943	20	23 GGAGTTGTAGCTCAAATGGT
t0031970	25	23 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAAT
t0031974	21	23 TCGAGAGAGGGCGTGGGTTCA
t0032046	20	23 GTTAGGATACTCGGCTCTCA
t0032063	26	23 GCGGGTGTAGTTCAGTAGTAGAACAT
t0032089	27	23 GGTTCATGGTCTAGCGGTTAGGACAT
t0032127	24	23 GGTTCATGGTGTAGTGGTTAGCA
t0032144	23	22 TGTGGCTGTAGTTTAGTGGTTAG
t0032154	22	22 GGGGATGGAGCTCAGATGGTAG
t0032177	23	22 GGTGTTGTAGCTCAAATGGTAGA
t0032197	22	22 GGGGATGTAGCTCAGATGGTCT
t0032234	30	22 GCACCAGTCGTCTAGTGGTAGAATAGTACC
t0032248	27	22 GCGTTTGTAGTCCAACGGTCAGGATAA
t0032317	22	22 GGGGATGTAGCTCAGATGGGAG
t0032351	25	22 GGGTCTGTAGCTCAGTTGGTTAGAG
t0032380	19	22 GCGTTTGTAGTCCAACGGA
t0032383	27	22 GCGCGGGTGGCGGAATAGGCAGACGCG
t0032392	27	22 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGAGTATTC

t0032410	25	22 GTGGCTGTAGTTTAGTGGTAAGAAT
t0032450	23	22 GCGGGTGTAGTTCAGTAGTAGAA
t0032474	28	22 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCACAT
t0032481	24	22 TGGGTTCGTTTCCCACAGACGGCG
t0032581	23	22 GGTAGAGCATTGACTGCAGATC
t0032582	25	22 TCTAGTTGGTTAGGATACTCGGCTC
t0032614	27	22 GTTGTAGTATAGTGGAAGTATTCCCG
t0032643	28	22 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCTCT
t0032654	20	22 GCGGAAATAGCTTAATGGTA
t0032659	26	22 TCAGTGGTAGAGCATTGACTGCAGA
t0032677	23	22 TAGTTGGTTAGGATACTCGGCTC
t0032690	22	22 TCGGAGAGGTACGGGGATCGTT
t0032723	25	22 CTCCGGAGCGGGAGATTGTGGGTTT
t0032742	26	22 CAGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGA
t0032750	26	22 CGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGCTA
t0032832	28	22 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGTT
t0032943	22	22 GCCCCAATAGCTCAGTCGGCAG
t0032984	26	22 GGTTCATGGTCTAGCGGTTAGGACA
t0033068	30	22 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCCGC
t0033091	30	22 AGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTT
t0033104	26	22 GGGGATGTGGCGGAATGGCAGACGCG
t0033138	30	22 GCCGAAGTGGTGGAACTGGTAGACACGTAC
t0033150	25	22 TGGGGTGTAGCTCATATGGTAGAGC
t0033174	27	22 GGGCGATTAACCTCAGCGGTAGAGTGCC
t0033194	21	22 TCTAGCGGTTAGGACATTGGA
t0033196	28	22 GGGGCTGTGGCGCAGACTGGTAGCGCAC
t0033290	22	22 GCGCCTGTAGCTCAGTGGATAG
t0033292	28	22 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTCGACGCAC
t0033297	27	22 CGCGGGGTGGAGCAGTTCGGTAGCTCG
t0033330	20	22 GGTGCTGTGGTGTAGTGGTT
t0033380	26	22 GGGGATATGGCGAAATTGGTAGACGC
t0033385	25	22 GGATGGATGTCTGAGCGGTTGAAAG
t0033450	22	22 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAC
t0033497	22	22 GACCGCATAGCGCAGTGGATTA
t0033520	24	22 TCAGTTGGTAGAGCTGAGGACTGT
t0033526	27	22 GCGGACGTGGCGGAATTGGTAGACGCA
t0033546	23	22 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAG
t0033708	24	21 CGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGC
t0033768	22	21 GTTGAGATGGCCGAGTTGGTCT
t0033804	26	21 TCTAGTTGGTTAGGATACTCGGCTCT
t0033878	26	21 GGGGCTGTGGCGCAGACTGGTAGCGC
t0033903	22	21 GGGGATTTAGCTCAGATGGTAG
t0033941	21	21 GGCGCGGTAGCAAAGCGGTTA
t0033999	20	21 TGTGGCTGTAGTTTAGTGGT
t0034056	26	21 GCGGGTGTGGCGGAATGGTAGACGC
t0034148	28	21 GTCGGGATAGCTCAGCTGGTAGAGCAGA
t0034197	29	21 GGGGCTATAGCTCAGTTGGTAGAGCGCCT
t0034226	20	21 GGGGATGTAGCTCATATGGT
t0034230	27	21 CTCAGTGGTAGAGCATTGACTGCAGA
t0034249	26	21 GGGCCTGTAGCTCAGAGGATAGAGCA

t0034258	21	21 ATCAGAGTGGCGCAGCGGAAG
t0034265	20	21 TTGGTTAGGATACTCGGCTC
t0034275	24	21 TAGTTGGTTAGGATACTCGGCTCT
t0034287	27	21 ACGGGCATAGTTCAACGGTAGAATAGA
t0034288	26	21 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTTATCAC
t0034336	26	21 GCGCGATGGTGGAATGCAGCCACGG
t0034359	28	21 GCGGCTGTAGCTCAGTGGATAGAGTATT
t0034360	27	21 GTCGTTGTAGTATAGTGGTAAGTATTC
t0034377	23	21 GCGGAAATAGCTTAATGGTAGAG
t0034533	23	21 GGTGATGTAGCTCAAATGGTAGA
t0034569	30	21 GGGCGTTTGGTCTAGTGGTATGATTCTCGC
t0034577	27	21 GCGGGTGTAGCTCAATGGTAGAGCAGA
t0034591	25	21 GCTCGAGTGGTGGAATTGGTAGACA
t0034659	25	21 AGATTTGAAATCTGTTGGGCTTCGC
t0034694	26	21 GCGGGGTAGAGGAATTGGTCAACTCA
t0034712	28	21 GCGGGTGTAGCTCAATGGTAGAGCAGAA
t0034821	22	21 GGTGTTGTAGCTCAAATGGTAG
t0034839	21	21 GGCGTCGTGGTGTAGTTGGTT
t0034863	24	21 GGCAAGATGGCGGAGTGGTTAACG
t0034894	26	21 GCCGAAGTGGTGGAAGTGGTAGACAC
t0034910	32	21 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCCTGAC
t0035047	23	21 CTCGAGAGAGGGCGTGGGTTTCAT
t0035065	25	21 CGGATGGTGGAATGCAGACACGGCG
t0035068	29	21 GGTGGCTGTAGCTCAGTTGGCAGAGCACC
t0035070	26	21 CGGGCGGCCCCGGGTTTCGTTTCCCGGC
t0035105	26	21 GCGGGTGTAGTTCAATGGTAGAACGC
t0035243	23	20 GTTAGGATACTCGGCTCTCACCC
t0035281	25	20 TGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAGC
t0035306	28	20 TTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTT
t0035411	29	20 GTGGACGTGCCGGAGTGGTTATCGGGCAT
t0035471	26	20 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCG
t0035481	23	20 GTTGTCGTGGTGTAGTTGGTTAT
t0035492	26	20 CGGGGTGTAGCTTAGCCTGGTAGAGC
t0035550	28	20 GGAGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCT
t0035559	28	20 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAGCTCG
t0035579	29	20 GGCCCGTTCGTCTATCGGTTAGGACGCCA
t0035670	21	20 GGATGGCGGAATTGGTAGACG
t0035710	21	20 CTAGGTGGTTAGGATACTCGG
t0035728	29	20 CGGGGTGTAGCTTAGTCTGGTAGAGCGCT
t0035754	23	20 GGGGATGTAGCTTAGATGGTAGA
t0035834	27	20 GGGCGCGTGGTCTAGTGGTATGATTTT
t0035872	22	20 GGGGATGTAGCTTAGATGGTAG
t0035908	23	20 AGCGGGGTGTAGGAATTGGTCAA
t0035927	30	20 CCCCTGTAGCTCAATTGGCAGAGCAGCCGG
t0035985	27	20 TCCGGTATGGTGTAGTGGCTAACATTT
t0035989	23	20 GGTTTCGTTTCCCGGCTGGTGCAC
t0036027	24	20 CGCGGGGTAGAGCAGTTTGGTAGC
t0036031	21	20 TGGATTGTAGTTCAATCGGTC
t0036118	27	20 GCGCCTGTAGCTCAGTGGATAGAGCTT
t0036122	20	20 GGGGATGTAGCTCAGAGGGT

t0036190	24	20 GGTGGCTGTATTTTAGTGGTTAGA
t0036261	25	20 GCGGGTGTAGCTCAGTCGGTTAGAG
t0036301	27	20 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTCAGGAT
t0036325	25	20 GGGAATGTAGCTCAGATGGTAGAGC
t0036359	24	20 TGTGTCGTCTGTAGTTGGTTATC
t0036405	25	20 GCCCCGATGGCGGAATTGGTAGACG
t0036442	21	20 GGGGTGTAGCTCATATGGTAG
t0036467	31	20 GCGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCAACC
t0036477	24	20 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAT
t0036570	24	20 CGCGGGATAGAGCAGTAGGCAGCT
t0036590	25	20 GCGGGTGTAGCTCAATGGTAGAGCA
t0036613	21	20 GGCGGAATGGCAGACGCGCTA
t0036616	29	20 GGTGGCTGTAGCTCAGTTGGTAGAGTCCA
t0036633	22	20 GGGATGTAGCTCAAATGGTAGA
t0036680	28	20 GCGGAAATAGCTTAATGGTAGAGCATAG
t0036682	23	20 AGATTGAGGTTCTGGTCCGAAAG
t0036762	25	20 GGTGGGTGTAGCTCAGCTGGTAGAG
t0036822	28	20 GCGCCTGTAGCTCAGTGGATAGAGCTTC
t0036835	21	20 GTCGTTGTAGTATAGTGGTAC
t0036906	31	19 GCCCTTTTAACTCAGCGGTAGAGTAACGCCA
t0036917	25	19 GCGGGTGTAGCTCAGTGGTAGAGCA
t0037030	18	19 GTCTGGTGTAGTTGGTTA
t0037105	21	19 GGGATTGTAGTTCAATCGGTT
t0037147	21	19 TGGTAGAGCATTGACTGCAT
t0037253	26	19 GGGGGTGTAGCTCATATGGTAGAGCT
t0037299	27	19 GCCCAGGTGGCGGAAGTGGTAGACGCG
t0037339	20	19 TCCTCAGTAGCTCAGTGGTA
t0037367	26	19 CCGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGCT
t0037406	26	19 AGTGGTAGAGCATTGACTGCAGATC
t0037463	28	19 GGGGATATAGCTCAGCTGGGAGAGCGCG
t0037487	29	19 GCGTTTGTAGTCCAACGGTAAGGATAATT
t0037582	23	19 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTAG
t0037586	30	19 CGGGCTGTAGCGCAGCTTGGTAGCGCACTT
t0037654	19	19 GTAGAGCGGAGGACTGTAG
t0037697	20	19 TAAGCAGAAGGCCGTAGGTT
t0037709	22	19 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTAT
t0037782	22	19 GGGTCCATAGCTCAGTGGTAGA
t0037843	29	19 GCCCTCATCGTCTAGCGGCCTAGGACGCC
t0037874	29	19 TCCGGCGTAGCTCAGTCGGTAGAGCGGGT
t0037886	26	19 GGGGCTATAGCTCAGCTGGGAGAGCG
t0037929	27	19 CGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCA
t0037973	23	19 GGCGTCGTGGTGTAGTTGGTTAT
t0038009	22	19 CTCGTGAGAGGGCGTGGGTTCA
t0038026	25	19 TCAGTGGTAGAGCATTGACTGCAG
t0038095	29	19 GGTGTAGTTTAAATGGTAGAACATCAGCTT
t0038114	26	19 GCGTTTGTAGTCCAACGGTCAGGATA
t0038134	22	19 GGTGGCTGTAGTTTGTAGTGGTTC
t0038159	27	19 CCCGGATGGTGGAATGCAGACACGGCG
t0038248	20	19 GGTTAGGATACTCGGCTCTC
t0038315	21	19 GGCGGATGTGGCCAAGTGGAT

t0038406	24	19 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGGC
t0038453	26	19 GCCCCGATGGCGGAATTGGTAGACGC
t0038481	20	19 GTTGGTAGAGCGGAGGACTG
t0038525	23	19 GGGATGTAGCTCAAATGGTAGAG
t0038571	21	19 GGGTCCATAGCTCAGTGGTAG
t0038603	26	19 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGAA
t0038662	29	19 GCGTTTGTAGTCCAACGGTAGGATAATTG
t0038672	22	19 AGCGGGGTATAGGAATTGGTCA
t0038755	20	19 GGTGGTTAGGATACTCGGCT
t0038774	21	19 AAGCAGAAGGCCGTAGGTTCG
t0038792	27	18 GCCCCGATGGTGGAATGCAGCCACGGC
t0038827	21	18 CTCGAGAGAGGGCGTGGGTTC
t0038863	22	18 GCGGGTGTAGTTTAGTAGTAGA
t0038894	21	18 GCGTTTGTAGTCCAACGGTCC
t0038942	21	18 GGGGATGTAGCTCAGTTGGTA
t0038949	25	18 CAGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAG
t0038969	28	18 CGGGGTGTAGCGCAGCTTGGCAGCGCGC
t0038983	24	18 CGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATC
t0039008	24	18 GGGGATGTAGCTTAGATGGTAGAG
t0039019	22	18 GGGGGGGTAGCTCATATGGTAG
t0039024	27	18 GCCGGAGCGGTGGAATTGGCAGACACG
t0039026	24	18 GCGCATCTGGTGTAGTGGTATCAT
t0039041	27	18 GGAGAGATGGCTGAGTGGACTAAAGCT
t0039064	21	18 GTGGATCAAGGCAGTGGATTG
t0039123	23	18 GCCCCAATAGCTCAGTCGGCAGA
t0039163	19	18 TCAAGGCAGTGGATTGTGA
t0039192	30	18 CCGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGCTAGCT
t0039200	23	18 CGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTAT
t0039314	25	18 GGCGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCA
t0039336	28	18 GCACTCGTAGCTTAACGGATCGAGCATC
t0039392	22	18 AGAGCGGAGGACTGTAGATCCT
t0039402	24	18 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAATT
t0039438	31	18 GCACCAGTCGTCTAGTGGTAGAATAGTACCC
t0039601	27	18 GTTGTAGTATAGTGGTGAGTATTCCCG
t0039610	20	18 CCGACCTTAGCTCAGTTGGT
t0039619	26	18 GGGGGTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCA
t0039642	30	18 GCACCAGTAGTCTAGTGGTAGAATAGTACC
t0039798	29	18 AGTGGTAGAGCATTTGACTGCAGATCAAG
t0039832	19	18 GGGGAGATACTCAAGCGGC
t0039953	28	18 TCCATTGTCTGTAGTCCGGTCAGGATA
t0039982	28	18 GCGGAAGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCA
t0039999	20	18 GGGATGTAGCTCAAATGGTA
t0040040	30	18 GGGGCGGTAGCTCAGCCGGTTAGAGCAGCG
t0040068	20	18 GGTTCATGGTCTAGCGGTT
t0040072	29	18 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCACT
t0040150	29	18 GCCCCAATAGCTCAGTCGGCAGAGCGTCT
t0040163	25	18 GGGTCTGTAGCTCAGCTGGTTAGAG
t0040171	28	18 GTGGTCGTGCCGGAGTGGTTATCGGGCA
t0040196	20	18 AGGTGGCGGAATTGGTAGAC
t0040254	27	18 TGGTAGAGCATTTGACTGCATATCAAG

t0040257	20	18 CGCGGGATAGAGCAGTAGGC
t0040287	28	18 GCGACTGTGGTGGAAGTGGTAGACACGC
t0040296	27	18 GCGGGTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGTG
t0040377	30	18 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCCTG
t0040393	20	18 GGGTTGTAGCTCAAATGGTA
t0040432	20	18 GCGGATGTAGCTCAGATGGT
t0040456	23	18 GCGCCTGTAGCTCAGTGGAGAGC
t0040463	27	18 CTCAGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAG
t0040464	25	18 GGGTGTAGTTTAATGGTAGAACATC
t0040573	25	18 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGCGTAT
t0040588	25	18 CGCGGGGTGGAGCAGTTCGGTAGCT
t0040642	27	18 GGGGCTATAGCTCAGTTGGTAGAGCGC
t0040653	28	18 ATTGGACTCTGAATCCAGTAACCCGAGT
t0040716	25	18 GTCTGGGTCGTGTAGTTGGTTATCA
t0040734	27	18 GGGGACGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGT
t0040738	22	18 GGTGATGTAGCTCAAATGGTAG
t0040888	27	18 GGGTCTGTAGCTCAGCTGGTTAGAGCA
t0040938	29	18 GGGGCTGTAGCTCAGATGGGAGAGCGCTG
t0041020	21	17 CGGTACTGACCGGGGTTTCGTT
t0041035	28	17 GCCCCAATAGCTCAGTCGGCAGAGCGTC
t0041098	20	17 GCGGGTGTAGCTCAGTCGGT
t0041105	26	17 GCGGCTGTAGCTCAGTTGGATAGAGT
t0041222	22	17 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCT
t0041249	24	17 GGTTAGGATACTCGGCTCTCACCC
t0041264	27	17 GGTGTCGTCGTGTAGTTGGTTATCACT
t0041272	28	17 CGGGGTGTAGCTTAGTCTGGTAGAGCGC
t0041276	28	17 GCACCAGTTGTCTAGTGGTAGAATAGTA
t0041302	22	17 CGCGGGGTGGAGCAGTTCGGTA
t0041339	24	17 CTCAGTGGTAGAGCATTGACTGC
t0041352	26	17 TCCGGGTGGCGGAATGGCAGACGCGC
t0041428	27	17 CCGGTGGTGTAGTTGGTTATCACGTCA
t0041443	28	17 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCA
t0041523	29	17 GCGGATATGGCGAAATTGGTAGACGTGCC
t0041543	23	17 CAGTTGGTAGAGCTGAGGACTGT
t0041575	20	17 AGGGATGTAGCTCAGATGGT
t0041725	29	17 GGACGATTAGCTCAGCTGGGAGAGCACCT
t0041753	23	17 GTGGCTGTAGTTTAGTGGTTAGA
t0041773	22	17 GCGGGGTAGAGGAATTGGTCCA
t0041804	21	17 CTTGCGAGAGGTACGGGGATC
t0041869	22	17 GTGGTAGAGCATTGACTGCAT
t0041960	26	17 TGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCAC
t0042014	28	17 GGTCTGGTCGTCTAGCGGTATGATTCTC
t0042028	25	17 GGGCGTTTGGTCTAGTGGTATGATT
t0042031	30	17 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTAGGATAATTG
t0042042	28	17 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCCTC
t0042133	28	17 GGTACAGACCCGGGTTTCGTTTCCCGGCT
t0042182	24	17 AGGGTCGTAGCTCAATTGGTAGAG
t0042184	28	17 ACGGGCGTAGTTCAAGGGTAGAATAGCG
t0042203	28	17 CCGAGAGACCCGGGTTTCAGGTCCCGGCA
t0042226	30	17 GTTAGGACATTGGACTCTGAATCCAGTAAC

t0042249	25	17 GAGTGGCGCAGCGGAAGCGTGGTGG
t0042263	21	17 AGGGATATAACTCAGCGGTAG
t0042273	26	17 TCCGTTGTAGTCTAGTTGGTTAGGAT
t0042279	29	17 AGGTCTGTAGTTCGTTCTGCATGGGGGC
t0042312	25	17 CTCAGTGGTAGAGCATTGACTGCA
t0042349	25	17 GGTGATGTAGCTCAAACGGTAGAGC
t0042353	22	17 GCCCGTCTAGCTCAGTTGGTAG
t0042364	21	17 CTCGTGAGAGGGCGTGGGTTC
t0042371	25	17 CGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCA
t0042415	26	17 GCGCGGATGGCGGAATTGGTCGACGC
t0042442	20	17 GGGGGTGTAGCTCATGGTAG
t0042610	22	17 TTGGTAGAGCTGAGGACTGTAG
t0042633	20	17 CGTGTCGTGGTGTAGTTGGT
t0042685	23	17 GCGGAAGCGTGGTGGGCCCATAA
t0042690	22	17 GGGGATGTAGCTCAGATGGTGA
t0042701	30	17 GGGGCATAGCTCAATTGGCAGAGCGTCGGT
t0042717	25	17 GCGCCTGTAGCTCAGTGGACAGAGC
t0042719	27	17 CGGGTGGCGGAATAGGCAGACGCGCTG
t0042744	27	17 CCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGTACC
t0042833	19	17 AGTCCCGTAGCTCAGTTGG
t0042849	30	17 GCGGGTGGCGGAATAGGCAGACGCGCTGGA
t0042861	25	17 AGCGGGGGAGAGGAATTGGTCAACT
t0042888	24	17 GGTGATGTAGCTCAAATGGTAGAG
t0042928	20	17 GCGTTTGTAGTCCAACGGGT
t0042961	26	17 ACCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGTA
t0043115	20	17 TGCGGATGTGGCCAAGTGGA
t0043198	23	17 GGGGATGTAGCTCAGATGGTATT
t0043207	27	17 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGCAC
t0043358	24	16 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTATAG
t0043359	29	16 TGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGCACC
t0043394	23	16 ACACACTGAAGGTCTCCGGTTCG
t0043422	28	16 ACGGACTGTAAATTCGTTGACGATATGA
t0043463	22	16 TTCGAACCCTGCTGTGACGCC
t0043469	19	16 GGA CTAGACGACAATGGAA
t0043550	25	16 CGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGC
t0043635	30	16 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGCACCTG
t0043639	25	16 GGTGGCTGTAGCTCAGTTGGTAGAG
t0043749	19	16 GACAGTTTGCCGAGTGGT
t0043762	29	16 GCGGGTGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCGA
t0043764	24	16 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAC
t0043810	24	16 GGGGATGTAGCTCAGAGGTAGAGC
t0043850	29	16 GGGTGGTTAGCTCAGCGGTAGAGCACTGC
t0043856	26	16 TGGTAGAGCATTGACTGCACATCAA
t0043890	19	16 GGGGATGTAGCTCAGGGTA
t0043931	26	16 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTCGACGC
t0043937	22	16 GGGTATGTAGCTCAGATGGTAG
t0043939	20	16 GCGGGTATAGTTTAGTGGTA
t0043950	21	16 GTTGGTTAGGATACTCGGCTC
t0043969	25	16 GCACTCGTAGCTTAACGGATAGAGC
t0044103	28	16 TGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCT

t0044110	18	16 GGATGTAGCTCAGATGGT
t0044136	21	16 GTCCGAAAGGGCGTGGGTTC
t0044212	23	16 GGGGATGGAGCTCAGATGGTAGA
t0044217	28	16 CTCAGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGA
t0044221	27	16 GGGTGTAGTTTAATGGTAGAACATCAG
t0044377	22	16 AGGGATATAACTCAGCGGTAGA
t0044385	28	16 GCCGGTGTAGCTCAGTTGGTAGAGCAGC
t0044412	20	16 CGAAAGGGCGTGGGTTCAGA
t0044415	28	16 GCGGGGTAGAGGAATTGGTCAACTCATC
t0044477	27	16 GCGGGTGTAGCTCAATGGTAGAGCAGC
t0044481	27	16 GGCGCGGTAGCAAAGCGTTATGCACC
t0044518	22	16 GGGCGTTTGGTCTAGTGGTATG
t0044527	28	16 GCGCATCTGGTGTAGTGGTATCATAGTA
t0044598	22	16 CCGGAGCGGGAGATTGTGGGTT
t0044647	24	16 GACTTCTAATCAGGCGATTGTGGG
t0044730	27	16 GGTGGGTGTAGCTCAGCTGGCAGAGCA
t0044799	21	16 TTGCGAGAGGTACGGGGATCG
t0044806	20	16 CGCGGGGTAGAGCAGTTTGG
t0044815	20	16 CGGGGTAGAGGAATTGGTCA
t0044871	24	16 GGAGGTATGGCTGAGTGGCTTAAG
t0044878	22	16 GCGGGTGTAGTTCAATGGCAGA
t0044925	22	16 TTTGAAATCTGTTGGGCTTCGC
t0044987	24	16 GGCGCGGTAGCAAAGCGTTATGC
t0045048	24	16 GTGGTCGTGCCGGAGTGGTTATCG
t0045179	21	16 GGTGCTGTGGTGTAGTGGTTA
t0045193	29	16 TCCGGTATGGTGTAGTGGCTAACATCGCT
t0045266	26	16 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAGCT
t0045272	28	16 GGCGGATGTGGCCAAGTGGATCAAGGCA
t0045307	27	16 GCCCGGATGGCGGAATTGGTAGACGCG
t0045339	28	16 GGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGCACC
t0045342	20	16 CGCGTTTGTAGTCCAACGGT
t0045368	28	16 TGGTAGAGCATTTGACTGCACATCAAGA
t0045394	23	16 GGGGATGTAGCTCAAAGGTAGAG
t0045448	21	16 CAGTTGGTAGAGCGGAGGACT
t0045457	25	16 TGTGTCGTTGTGTAGTTGGTTATCA
t0045504	21	16 AGTCCCGTAGCTCAGTTGGTT
t0045540	20	16 GGCGTCGTGGTGTAGTTGGT
t0045576	21	16 GTTAGGATACTCGGCTCTCAC
t0045580	27	16 GGTCTGGTTGTCTAGCGGTATGATTCT
t0045604	30	16 TCCATTGTCTGTAGTCCGGTTAGGATACC
t0045618	27	16 GGCAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTTA
t0045651	26	16 GGGGCCGTAGCTCAGCTGGGAGAGCG
t0045664	22	16 GGGGATGTAGCTCAGATGGCAG
t0045711	20	16 GGGGATGTAGCTCAAGCGGT
t0045816	24	16 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAG
t0045940	24	16 GGGCGTTTGGTCTAGTGGTATGAT
t0045991	28	16 AGTGGTAGAGCATTTGACTGCATATCAA
t0046070	28	15 GGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCACCT
t0046095	31	15 GGCCCTGTGGCGGAGTGGTGACGCAGAGGAC
t0046146	26	15 GCGGAAATAGCTTAATGGTAGAGCAT

t0046174	25	15 GGGGACGTAGCTCAGCTGGGAGAGC
t0046184	29	15 TTGGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTTA
t0046188	18	15 CGAAAGGGCGTGGGTTCA
t0046240	23	15 TCCGGTATGGTGTAGTGGCTAAC
t0046250	26	15 TATGGTGTAGTGGTTAGCACTCTGGA
t0046349	29	15 GGGGGATTAGCTCAGCTGGGAGAGCACCT
t0046394	22	15 GGGTTGTAGCTCAAATGGTAGA
t0046427	25	15 GCGTTTGTAGTCCAACGGTCAGGAT
t0046461	22	15 GGGGGTGTAGCTCATATGGTAT
t0046472	20	15 AATCCCCGTTCGTCGCCCCA
t0046489	24	15 GGGTGTATAGCTCAGTTGGTAGAG
t0046497	29	15 GCGGACGTAGCGCAGCTGGTAGCGCATCA
t0046563	26	15 GGGCCTGTAGCTCAGTTGGTTAGAGC
t0046634	20	15 GGAAATGTAGCTCAGATGGT
t0046639	26	15 TCCGTAGCTCAATTGGCAGAGCAGCC
t0046667	23	15 AGGGATGTAGCTCAGATGGTAGA
t0046687	29	15 GGATGGATGTCTGAGCGGTTGAAAGAGTC
t0046712	21	15 GGGGGTGTAGCTCATGGTAGA
t0046750	24	15 TTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGAT
t0046754	27	15 TTGGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCT
t0046774	27	15 ACGGGAATAGTTCAACGGTAGAATAGA
t0046822	19	15 TCTCGGTAGCTCAGTTGGT
t0046849	26	15 GCAGTGGATTAGCGCTTTTGACTTCG
t0046903	20	15 GCGAGAGGTACGGGGATCGT
t0046905	28	15 GGTCTGGTGGTCTAGTGGTATGATTCTC
t0046981	20	15 GGGGATGTAGCTCAGGGTAG
t0047036	20	15 GCGCGGATGGCGGAATTGGT
t0047038	22	15 CTAGGTGGTTAGGATACTCGGC
t0047045	32	15 TCCCCTGTAGCTCAATTGGCAGAGCAGCCGGC
t0047073	24	15 AGGCACGTAGCTCAGTGGGAGAGC
t0047119	28	15 ACGGGAATAGTTCAACGGTAGAATAGAG
t0047129	28	15 AGGACATTGGACTCTGAATCCAGTAACC
t0047156	28	15 CAGAAGGTTGCGTGTTTCGTTTCACGTCG
t0047159	28	15 GGTGGGTGTAGCTCAGCTGGTAGAGCAC
t0047188	22	15 ACGGACTGTAAATTCGTTGACG
t0047200	21	15 GTAGAGCGGAGGACTGTAGAT
t0047228	25	15 CGGGACGTGGCGCAGCTTGGTAGCG
t0047293	25	15 ATGATTGAAAATCATGTGGGCTTTG
t0047329	21	15 GGGGATGTAGCTCAGATGGGG
t0047333	28	15 AGATTTAGGCTCTGGTCCGAAAGGGCGT
t0047350	23	15 GGGGACGTAGCTCAGCTGGGAGA
t0047373	26	15 CTCAGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTA
t0047414	27	15 GGGCGGTTAGCTCAGGGGTAGAGCACG
t0047458	21	15 AGCTGGTTAGGATACTCGGCT
t0047468	30	15 GGGTCTGTAGCTCAGCTGGTTAGAGCACTG
t0047485	28	15 ACGGGCATAGTTCAACGGTAGAATAGAG
t0047566	22	15 GGGGATGTAGCTCATGGTAGAG
t0047587	21	15 TCAAGCAAGGACTCTACCACG
t0047602	24	15 GCCCCAATAGCTCAGTCGGCAGAG
t0047619	21	15 CAGGTGGCGGAATTGGTAGAC

t0047683	19	15 TCGAGAGAGGGCGTGGGT
t0047760	19	15 CCGACCTTAGCTCAGTTGG
t0047811	20	15 GCCCCTATAGCTCAGTGGTA
t0047854	24	15 GATTTGAAATCTGTTGGGCTTCGC
t0047858	23	15 GGATGGATGTCTGAGCGGTTGAA
t0047932	20	15 TGGGGTGTAGCTCATATGGT
t0048030	25	15 TGGTAGAGCATTGACTGCACATCA
t0048111	28	15 GGTTCCTATGGTCTAGCGGTTAGGACATT
t0048133	21	15 AGCGGAAGCGTGGTGGGCCCA
t0048143	23	15 GCGCGGGTGGCGGAATAGGCAGA
t0048157	29	15 GTTGTAAGTATTTCCCGCC
t0048259	26	15 GCGGGTGTAGCTCAGTTGGTAGAGCG
t0048271	25	15 GCAGTGGATTAGCGCTTTTGACTTC
t0048278	28	15 GGATCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGCAC
t0048288	21	15 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGGT
t0048294	25	15 GGTAGAGCAGAGGACTGTAGATCCT
t0048370	26	15 GCGGGTGTAGTTTAGTAGTAGAACAA
t0048429	27	15 TCAGTGGTAGAGCATTGACTGCAGAT
t0048432	28	15 GCGGGCGTAGTTCAATGGTAGAACGGCA
t0048480	20	15 GGTTCGAGTCCGGTCGGGGG
t0048526	27	15 TCTGACTTCTAATCAGGCGATTGTGGG
t0048560	19	15 GGGGATGTAGCTCAATGGT
t0048568	30	15 GGTGGCTGTAGCTCAGTTGGTAGAGTCCCA
t0048575	29	15 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGCGCTA
t0048579	26	15 GGGTCTGTAGCTCAGTTGGTTAGAGC
t0048594	20	15 GTTGTCGTGGTGTAGTTGGT
t0048643	28	15 GGGGGTGTAGCTCATATGGTAGAGCGCT
t0048690	27	15 ACTTCTAATCAGGCGATTGTGGGTTCG
t0048736	20	15 AGTGGTATGATTCTCGCTTT
t0048747	28	15 GCGGGCGTAGCTCAGGGGTAGAGCACAA
t0048800	25	15 TGTGTCGTCTGTAGTTGGTTATCA
t0048814	26	15 GGGGATGTAGCTCAAATGGTAGAGCT
t0048874	22	15 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTA
t0048888	28	15 GGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTTAG
t0048901	27	15 GCGGGTGTAGCTCAGGGGTAGAGCATA
t0048958	25	15 GCGCGGATGGCGGAATTGGTCGACG
t0049008	28	15 GGTGTAGTTTAATGGTAGAACATCAGCT
t0049047	24	15 GCGCCTGTAGCTCAGTGGAAGAGC
t0049086	21	15 CGAAAGGGCGTGGGTTCAAAT
t0049143	26	15 GCGGGTGTAGCTCAGGGGTAGAGCAT
t0049176	27	15 GGGGATGTAGCTCAAACGGTCGAGCGC
t0049191	22	15 GGATGGATGTCTGAGCGGTTGA
t0049227	27	15 AGATTTAGGCTCTGGTCCGAAAGGGCG
t0049241	20	15 CGAATCCTGCTGTGACGCC
t0049291	25	14 GTGGTAGAGCATTGACTGCAGATC
t0049325	27	14 GGCTTGGTGGTCTAGTGGTATGATTCT
t0049347	25	14 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGACC
t0049435	21	14 GCGCTCTTAGTTCAGTTCCGGT
t0049439	23	14 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCAT
t0049443	23	14 GCGGGTGTAGCTCAGGGGTAGAG

t0049462	28	14 GCGGGTGTAGCTCAGGGGTAGAGCACAA
t0049502	29	14 GGGGGTATAGCTCAGCTGGGAGAGCGCTT
t0049560	20	14 AACTGAAGGTCTCCGGTTC
t0049597	24	14 GCGGATGTGGCGGAAGTGGTAGAC
t0049651	21	14 GGGGATGTAGTTCAGATGGTA
t0049688	30	14 TCCCCTGTAGCTCAATTGGCAGAGCAGCCG
t0049701	27	14 GTGGTAGAGCATTTGACTGCACATCAA
t0049756	27	14 AGTGGTAGAGCATTTGACTGCATATCA
t0049813	26	14 CAGTGGTAGAGCATTTGACTGCAGAT
t0049822	19	14 TGGTAGAGCGGAGGACTGT
t0049892	22	14 GCGCGGGTGGCGGAATAGGCAG
t0049937	24	14 GGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCC
t0049947	24	14 GCGGATATGGCGAAATTGGTAGAC
t0049978	27	14 GCGGGTGTAGTTCAATGGTAGAACGCT
t0049980	18	14 GGTTCATGGTGTAGTGG
t0050208	22	14 CGCGGGGTAGAGCAGTTTGTA
t0050257	26	14 CTAGTTGGTTAGGATACTCGGCTCTC
t0050289	23	14 GGTTCGATTCCGGTCGGGGGTAC
t0050456	31	14 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCCGCA
t0050487	20	14 GGGGATTAGCTCAGATGGTA
t0050504	25	14 GCGGGTGTAGTTTAATGGTAGAACA
t0050667	28	14 GGAGTCGTGACCGAGTGGCCGAAGGTGC
t0050680	26	14 GTGGTAGAGCATTTGACTGCACATCA
t0050743	27	14 GCGGGGTAGAGGAATTGGTCCACTCAT
t0050815	20	14 GAGGATGTAGCTCAGATGGT
t0050866	25	14 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGC
t0050920	30	14 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGAGTATTCCCG
t0050950	22	14 GGTTCATGGTCTAGCGGTTAG
t0051053	21	14 TTCAAGCAAGGACTCTACCAC
t0051075	21	14 GGGGGTGTAGCTCATATGGAA
t0051177	22	14 GGGGATGTAGCTCAATGGTAGA
t0051243	29	14 GCCCCGTTGTGTAGCGGCCTAGCACGCT
t0051251	32	14 CCGACCTTAGCTCAGTTGGTAGAGCTGAGGAC
t0051313	28	14 TCCCCTGTAGCTCAATTGGCAGAGCAGC
t0051366	21	14 GCGGGGTAGAGGAATTGGTCC
t0051376	20	14 GGGGATGTAGCTCAATGGTA
t0051382	30	14 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAGCGCTCG
t0051403	20	14 TTGCGAGAGGTACGGGGATC
t0051408	24	14 GCGGGTGTAGCTCAGTGGTAGAGC
t0051475	23	14 TAGAGCGGAGGACTGTAGATCCT
t0051489	30	14 GCCGATGTAGCTCAGCTGGCTAGAGCAGCT
t0051502	28	14 GGGGCTGTAACTCAGTGGTAGAGTTCTT
t0051505	19	14 GGTAGAGCATTTGACTGCA
t0051550	23	14 GGGGGTGTAGCTCATAGGTAGAG
t0051570	29	14 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCAA
t0051597	27	14 GCGGACGTAGCGCAGCTGGTCGCGCAT
t0051607	21	14 AACTGAAGGTCTCCGGTTCG
t0051615	29	14 AGGACATTGGACTCTGAATCCAGTAACCC
t0051655	24	14 CGGGACGTGGCGCAGCTTGGTAGC
t0051664	28	14 CTCGGTTAGTATAGTGGTTAGTATCCCC

t0051705	24	14 GGATGGATGTCTGAGCGGTTGAAA
t0051856	24	14 GCTGGTTTGCCCGAGAGGTTAAGG
t0051867	21	14 CGGGGTGTAGCGCAGCTTGGC
t0051944	29	14 GCGGGTGTAGTTCAATGGTAGAACGCTAG
t0051998	21	14 GTGGTAGAGCATTTGACTGCC
t0052049	30	14 GGGTCTGTAGCTCAGGTGGTTAGAGCGCAC
t0052051	24	14 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATT
t0052083	20	14 GGGGATGTAGTTCAGATGGT
t0052112	28	14 GCCCAGATGGCGGAATTGGTCGACGCGC
t0052115	26	14 CGCGGGGTGGAGCAGTTCGGTAGCTC
t0052197	23	14 GCGGACGTGGCGGAATTTGGTAG
t0052292	21	14 AGTGGTAGAGCATTTGACTGC
t0052293	19	14 TTGCGAGAGGTACGGGGAT
t0052330	25	14 AGGGGTGTAGCTCAATTGGCAGAGC
t0052333	27	14 CAGTGGTAGAGCATTTGACTGCAGATC
t0052361	27	14 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCAC
t0052419	23	14 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTATA
t0052439	22	14 ACTTCTAATCAGGCGATTGTGG
t0052562	27	14 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCAC
t0052566	30	14 GGGTCTGTAGCTCAGTTGGTCAGAGCGCAC
t0052644	21	14 GGGGATGTAGCTCAGATGGCA
t0052681	27	14 GCCTGGTGGTCTAGTGGTATGATTGTC
t0052689	22	14 GCGCATCTGGTGTAGTGGTATC
t0052724	28	14 GACTTCTAATCAGGCGATTGTGGGTTCG
t0052732	27	14 TCCGGCGTAGCTCAGTCGGTAGAGCGG
t0052747	20	14 GCGGGGATAACTCAGTTGGG
t0052761	23	14 TCCATTGTCGTCTAGTCCGGTCA
t0052770	28	14 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGTT
t0052787	21	14 GGGGATGTATCTCAGATGGTA
t0052832	25	14 GCGGGAGTAGCTCAGTTGGTAGAGC
t0052837	24	13 GGGGGTGTAGCTCAGCTGGGAGAG
t0052907	22	13 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAG
t0052918	24	13 AGGGGTATAGCTCAATTGGCAGAG
t0052946	25	13 GCGGATGTGGCGGAAGTGGTAGACG
t0053058	21	13 GGTAGGATACTCGGCTCTCA
t0053088	28	13 GCAATAGACCCGGGTTCTGTTCCCGGCA
t0053194	27	13 CGCTGGTTCGAATCCGGCAGGTCGGAC
t0053229	26	13 TCCGGAGTAGCTCAGTGGTAGAGCAG
t0053249	24	13 GTTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATC
t0053288	24	13 AGTGGTAGAGCATTTGACTGCACA
t0053327	27	13 GGGCGTGTAGCTCAGCGGGAGAGCACT
t0053424	25	13 GGGGATGTAGCTCAGATGGGAGAGC
t0053462	20	13 GTAGAGCGGAGGACTGTAGA
t0053532	22	13 GGGGATGTAGCTCAAAGGTAGA
t0053655	22	13 AGGGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0053696	25	13 AGATTGAGGTTCTGGTCCGAAAGGG
t0053705	29	13 GCGGATGTGGCGGAAGTGGTAGACGCGCA
t0053746	23	13 GCGGGTGTAGTTTAGTAGTAGAA
t0053763	30	13 AGGTCTGTAGTTCGTTCTGCATGGGGGCA
t0053797	20	13 GTCAGGATGGCCGAGTGGTC

t0053889	23	13 GGGATTGTAGCTCAAATGGTAGA
t0053899	27	13 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTCGGATAA
t0053964	19	13 GGTAGAGCGGAGGACTGTA
t0053988	23	13 CGCGGGGTAGAGCAGTTTGGTAG
t0054027	25	13 GGAGGTATGGCTGAGTGGCTTAAGG
t0054110	30	13 GGTGGTTGTAGCTCAGCTGGTTAGAGCATC
t0054168	23	13 AGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTAT
t0054171	20	13 CGGAATAGGCAGACGCGCTG
t0054191	22	13 CAGGTGGCGGAATTGGTAGACG
t0054204	20	13 GGAGATGTAGCTCAAATGGT
t0054247	23	13 GCACCAGTTGTCTAGTGGTAGAA
t0054263	27	13 GTGGTAGAGCATTTGACTGCATATCAA
t0054347	26	13 GAGCGGAGGACTGTAGATCCTTAGGT
t0054441	22	13 GGTGTCGTGGTGTAGCTGGTTA
t0054552	24	13 TGGACTCTGAATCCAGTAACCCGA
t0054554	31	13 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAGCGCTCGC
t0054576	29	13 CGGGGTGTAGCGCAGCTTGGCAGCGCGCT
t0054614	20	13 TGTCGTGGTGTAGTTGGTTA
t0054681	26	13 GTAGAGCAGAGGACTGTAGATCCTTA
t0054714	28	13 CCCCCGTTGTGTAGCGGCCTAGCACGCC
t0054768	19	13 GGTCCCATGGTCTAGTGGT
t0054809	22	13 GCGGTCGTGGTGGAATTGGTAG
t0054937	25	13 GGTCCGGTGGTGTAGTTGGTTATCA
t0054947	30	13 AGGGGTATAGCTCAATTGGCAGAGCGTCGG
t0054979	28	13 GGCGGAGTAGCTCAGCTGGTTAGAGCGG
t0055106	20	13 CCGGAGCGGGAGATTGTGGG
t0055115	20	13 GGGGTGGTGGCGCAGTTGGC
t0055168	21	13 CGGAGCGGGAGATTGTGGGTT
t0055211	23	13 GGGGATGTAGTTCAGATGGTAGA
t0055343	24	13 TGGTAGAGCATTTGACTGCACATC
t0055349	27	13 GGGTCTGTAGCTCAGTTGGTTAGAGCA
t0055357	26	13 CGGAAGCGTGGTGGGCCATAACCCA
t0055420	21	13 AGGCACGTAGCTCAGTGGGAG
t0055444	30	13 TCCGTAGCTCAATTGGCAGAGCAGCCGGCT
t0055462	20	13 GGGGGTGTAGCTCATATGGA
t0055471	22	13 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTTC
t0055474	28	13 CCCGGATGGTGGAATGCAGACACGGCGA
t0055492	19	13 CAGTTGGTAGAGCAAGGCT
t0055496	21	13 GGGAGAGTGGCCGAGTGGTTA
t0055525	29	13 GTCGTTGTAGTATAGTGGTACGTATTCCC
t0055539	23	13 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGC
t0055578	29	13 GGCGCGGTAGCAAAGCGTTATGCCCCGG
t0055583	30	13 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCTAG
t0055610	29	13 GCACCAGTTGTCTAGTGGTAGAATAGTAC
t0055656	24	13 GGGGGGGTAGCTCATATGGTAGAG
t0055690	27	13 GTGGTCGTGCCGAGTGGTTATCGGGC
t0055726	28	13 GGGCGTGTAGCTCAGCGGGAGAGCACTA
t0055740	21	13 GCGGGTGGCGGAATAGGCAGA
t0055842	23	13 GGGTATGTAGCTCAGATGGTAGA
t0055870	23	13 GGGCCTGTAGCTCAGTTGGGAGA

t0055898	19	13 GGCGGATGTAGCCAAGTGG
t0055936	22	13 TCGTGCCCCACGGTGGGCGCCA
t0055971	25	13 GTAGAGCAGAGGACTGTAGATCCTT
t0055979	28	13 GGGTCTGTAGCTCAGCTGGTTAGAGCAC
t0055985	24	13 GCTCAGTCGGCAGAGCGTCTCCAT
t0055998	22	13 GGTGTCGTGGGGTAGTTGGTTA
t0056016	27	13 AGTGGTAGAGCATTTGACTGCACATCA
t0056022	25	13 GTGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGC
t0056023	21	13 GGGGATGTAGCTCATGGTAGA
t0056038	26	13 GTGGTAGAGCATTTGACTGCATATCA
t0056050	21	13 GCAGAAAGTCGTAGGTTCCGGC
t0056075	27	13 GCGGGTGTAGTTCAGTAGCAGAACATC
t0056207	19	13 ATCAGGCGATTGTGGGTTTC
t0056234	28	13 AGCGGGGTAGAGGAATTGGTCCACTCAT
t0056241	23	13 AGTGGTAGAGCATTTGACTGCAT
t0056302	29	13 GCGGGTGTAGTTC AATGGCAGAACGGCAG
t0056308	24	13 GTCTGGGTAGTGTAGTTGGTTATC
t0056328	25	13 GGGCATTTGGTCTAGTGGTATGATT
t0056329	29	13 GCGCGGATGGCGGAATTGGTAGACGCGCT
t0056348	22	13 TCCGGTGGTGTAGTTGGTTATC
t0056423	20	13 GGGGATGTAGCTCAGGTGGT
t0056443	22	13 TTCGGTAGCTCGTCGGGCTCAT
t0056450	25	13 GCGGGCGTAGCTCAATGGTAGAGCC
t0056479	30	13 GCGGTCGTGGCGGAATTGGTAGACGCGCAG
t0056489	25	13 GCGCCTGTAGCTCAGTGGATCGAGC
t0056561	22	13 ACTGATAATGTAGGGGTCGGCA
t0056621	21	13 GGCGGATGTGGCCAAGTGGA
t0056821	25	13 GGCAAGATGGCGGAGTGGTTAACGC
t0056844	21	13 GGGCGTTTGGTCTAGTGGTAT
t0056867	27	13 TCAGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGA
t0056920	27	13 GCGGGTGTAGCTCAGGGGTAGAGCACG
t0056974	23	13 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGA
t0057123	23	12 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGA
t0057158	20	12 GGGCGTTTGGTCTAGTGGTA
t0057257	28	12 GCCCCTATCGTCTAGTGGTCAGGACATC
t0057279	28	12 GTTGTAGTATAGTGGTAAGTATTCCCGC
t0057346	21	12 GCGCGGGTGGCGGAATAGGCA
t0057349	18	12 GGAGGTATGGCTGAGTGG
t0057438	22	12 GATTTGAAATCTGTTGGGCTTC
t0057499	24	12 GTTAGGATACTCGGCTCTACCCCG
t0057524	23	12 GCGGGAGTAGCTCAGTTGGTAGA
t0057555	25	12 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCT
t0057649	29	12 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCTG
t0057750	22	12 GGGGATGTAGCTCAGATAGTAG
t0057836	20	12 CGAGAGGTACGGGGATCGTT
t0057931	23	12 GCGGATGGCGGAATTGGTAGACG
t0057933	25	12 GACATTGGACTCTGAATCCAGTAAC
t0057986	21	12 GGCGGAATTGGTAGACGCGCT
t0057987	27	12 ATTGGACTCTGAATCCAGTAACCCGAG
t0058033	26	12 GCGGGCGTAGCTCAATGGTAGAGCCC

t0058079	20	12 GGGGATATAGCTCAGATGGT
t0058129	27	12 GCCGAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCA
t0058141	29	12 AGGCGCGTAGCTCAGTTGGTTAGAGCACC
t0058146	21	12 GGGGGTGTAGCTCAGATGGTA
t0058148	28	12 GGCTCAGTGGTCTAGTGGTATGATTCTT
t0058164	21	12 GTCGTTGTAGTATAGTGGTGC
t0058204	29	12 GACCCTATCGTCTAGAGGCCTAGGACATC
t0058210	30	12 CGGGGTGTAGCGCAGCCTGGTAGCGCACTT
t0058270	22	12 TGGTAGAGCATTGACTGCACA
t0058312	27	12 GGGGCTGTAACTCAGTGGTAGAGTGCT
t0058316	20	12 TCTAGCGGTTAGGACATTGG
t0058359	24	12 ACATTGGACTCTGAATCCAGTAAC
t0058387	26	12 GCGGGCGTCGTTCAATGGCAGGACCT
t0058436	28	12 GCGGGTGACCCGGGTTTCGATCCCCGGCA
t0058452	24	12 AGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAG
t0058488	20	12 GCGGCTGTAGCTCAGTTGGA
t0058496	19	12 GTCGTGGTGTAGTTGGTTA
t0058564	28	12 GATTTAGGCTCTGGTCCGAAAGGGCGTG
t0058585	22	12 TCGAGAGAGGGCGTGGGTTCAT
t0058588	27	12 TCTAGTTGGTTAGGATACTCGGCTCTC
t0058684	21	12 GCGGTCGTGGCGGAATTGGTA
t0058689	22	12 GATTGTGATTCTGGTCGTCGTG
t0058708	23	12 CGGGATGTAGCTCAAACGGTAGA
t0058720	21	12 GCTGGAATAGCTCAGTTGGTT
t0058728	19	12 TGTCGTGGTGTAGTTGGTT
t0058808	28	12 GCGGTCGTGGCGGAATTGGTAGACGCGC
t0058886	26	12 AGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGAT
t0058893	27	12 CAGAAGGTTGCGTGTTTCGTTTCACGTC
t0058904	21	12 AAGCGTTTGTAGTCCAACGGT
t0058948	26	12 TGTGGCTGTAGTTTAGTGGTTAGAAT
t0058973	20	12 GCAGAAAGTCGTAGGTTTCGT
t0059088	24	12 GGGGATGGAGCTCAGATGGTAGAG
t0059092	24	12 CGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAG
t0059100	22	12 CAGTGGTAGAGCATTGACTGC
t0059151	27	12 GGGACGTTAGCTCAGTCGGTAGAGCAG
t0059164	23	12 AGGATACTCGGCTCTACCCGAG
t0059180	22	12 GCGGGTGGCGGAATAGGCAGAC
t0059204	30	12 GGAGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCACCTG
t0059243	21	12 AGTGGTATGATTCTCGCTTTG
t0059247	23	12 GGTAGAGCGGAGGACTGTAGATC
t0059286	25	12 TGTGGCTGTAGTTTAGTGGTTAGAA
t0059289	29	12 GCGGGCGTGGCGGAAGTGGTAGACGTGCT
t0059333	23	12 TTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGA
t0059374	27	12 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGCGAGCGC
t0059441	19	12 GTTGGTAGAGCGGAGGACT
t0059490	22	12 AGCGGGGTGTAGGAATTGGTCA
t0059574	18	12 GCGCCTGTAGCTCAGTGG
t0059587	26	12 GCGGACGTGGTGAATTGGTAGACAC
t0059610	27	12 TGGGTTCGAGCCCCACGGTGGGCGCCA
t0059612	29	12 AGGGGCATAGCTCAATTGGCAGAGCGTCG

t0059662	26	12 GCGGGTGGCGGAATAGGCAGACGCGC
t0059664	29	12 GCGCGGATGGTGAATGCAGCCACGGCGA
t0059712	21	12 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTT
t0059745	19	12 GTGGTTAGGATACTCGGCT
t0059793	25	12 GTTGTCTGGTGTAGTTGGTTATCA
t0059797	27	12 GGCGGATGTGGCCAAGTGGATCAAGGC
t0059873	28	12 TCAGTGGTAGAGCATTTGACTGCAGATC
t0059960	19	12 AGACTGTAAATCTGCCGGC
t0060003	21	12 GGATGGATGTCTGAGCGGTTG
t0060008	22	12 CGGATGGCGGAATTGGTAGACG
t0060012	28	12 AGGCACGTAGCTCAGTGGGAGAGCACTA
t0060040	27	12 GCAGTGGATTAGCGCTTTTGACTTCGG
t0060102	27	12 GGCGGAGTAGCTCAGTAGGTCAGAGCA
t0060109	20	12 GCTGGTTAGGATACTCGGCT
t0060159	29	12 GGGCCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGCACC
t0060184	30	12 ATTGGACTCTGAATCCAGTAACCCGAGTTC
t0060193	21	12 TCCAAGCAATAGATCCGGGTT
t0060201	29	12 GGTCTGTAGTTCGGTCCTGCATGGGGGCA
t0060235	25	12 GGAGTTGTAGCTCAAATGGTAGAGC
t0060386	25	12 TGGTAGAATAGTACCCTGCCACGGT
t0060419	27	12 GTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTTAG
t0060469	22	12 TTGAAATCTGTTGGGCTTCGCC
t0060477	23	12 GGGGATTTAGCTCAGATGGTAGA
t0060532	21	12 GTGTCGTGGTGTAGTTGGTTC
t0060573	25	12 TGGTTAGGATACTCGGCTCTCACCC
t0060580	20	12 GGGGATGTAGCTCATGGTAG
t0060584	23	12 GCGGGTGTAGTTTCAGTAGCAGAA
t0060638	20	12 GGCGCGGTAGCAAAGCGGTT
t0060655	29	12 CGGGGTGTAGCGCAGCCTGGTAGCGCACT
t0060684	19	12 GCGGATGTGGCCAAGTGA
t0060747	25	12 GGGGGTGTAGCTCATATGGTAGATC
t0060754	28	12 CGGGTGGCGGAATAGGCAGACGCGCTGG
t0060810	24	12 GGGGATGTAGCTCAGATGGGAGAG
t0060852	23	12 TGCGAGAGGTACGGGGATCGTTA
t0060947	24	12 GCGCCTGTAGCTCAGTGGGAGAGC
t0060962	24	12 GAGCGGAGGACTGTAGATCCTTAG
t0060965	22	12 GTCTGGGGGGTGTAGTTGGTTA
t0061056	26	12 GCCGGAGTGGTGAACCTGGCAGACAC
t0061057	27	12 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGCGC
t0061089	21	12 GTCGATATGTCCGAGTGGTTC
t0061111	25	12 GCGGGGATAGCTCAGTTGGGCGAGC
t0061152	30	12 GGGGATGTAGCTCAGATGGTCGAGCGCTCG
t0061168	27	12 GCGGCTGTAGCTCAGTGGATAGAGTAT
t0061234	25	12 TTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATC
t0061305	23	12 GTGGTAGAGCATTTGACTGCACA
t0061344	27	12 GCCGGAGTGGCGAAATCGGTAGACGCA
t0061421	26	12 CCCCCTTGTTAGCGGCCTAGCACGC
t0061438	28	12 CAGTGGTAGAGCATTTGACTGCAGATCA
t0061467	23	12 CGGATGGTGAATGCAGACACGG
t0061498	22	12 ATTTGAAATCTGTTGGGCTTCG

t0061598	26	12 TGGACTCTGAATCCAGTAACCCGAGT
t0061794	29	12 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCGCT
t0061803	30	12 GGGGATGTAGCTCAAATGGTAGAGCGCTCG
t0061865	26	11 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTCGGATA
t0061905	27	11 ACGGGCGTAGTTCAAGGGTAGAATAGC
t0061923	21	11 GAGGATGTAGCTCAGATGGTA
t0061941	27	11 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCACA
t0061942	22	11 GGGGATGTAGCTCAGATGGTCA
t0061989	20	11 GGTAGAGCATTGACTGCAT
t0062063	27	11 GGCATTTGGTCTAGTGGTATGATTCTC
t0062064	21	11 AGCAGAAAGTCGTAGGTTCTGT
t0062077	18	11 GGGGATGTAGCTCAGGGT
t0062108	27	11 GGTGGGTGTAGCTCAGCTGGTAGAGCA
t0062137	28	11 GTTGGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCT
t0062167	28	11 GCCTTGATGGTGAAATGGTAGACACGCG
t0062174	29	11 GGAGGTATGGCTGAGTGGCTTCAGGCATT
t0062194	25	11 GCGGGTGTAGTTCAATGGTAGAACG
t0062196	25	11 GCGAGGATGGCGGAATTGGTAGACG
t0062203	24	11 ATGATTGGAAATCATGTGGGCTTT
t0062294	28	11 CGGGGTGTAGCGCAGCCTGGTAGCGCAC
t0062371	22	11 GGGAGTGTAGCTCATATGGTAG
t0062413	20	11 GGGGATGTATCTCAGATGGT
t0062450	24	11 CAGTGGTAGAGCATTGACTGCAT
t0062452	21	11 GGTTTCGATTCCGGTCGGGGGT
t0062499	26	11 CTCAGTGGTAGAGCATTGACTGCAG
t0062522	22	11 GGGGATGTAGCTCTGATGGTAG
t0062569	23	11 GGGGATGTAGCTCAGATGTAGAG
t0062591	28	11 GGGGTTGTAGCTCAAATGGTAGAGCGCT
t0062593	28	11 CTCAGTGGTAGAGCATTGACTGCAGAT
t0062766	25	11 GCGGACGTAGCGCAGCTGGTAGCGC
t0062767	29	11 GGGATATAACTCAGCGGTAGAGTGTCACC
t0062769	23	11 GGTTCCATGGTCTAGCGGTTAGG
t0062800	20	11 TGGATCAAGGCAGTGGATTG
t0062882	19	11 TCGTTTGTAGTCCAACGGT
t0062930	29	11 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCGG
t0062962	25	11 GCGCGGGTGGCGGAATAGGCAGACG
t0063037	23	11 GGTTTCGAGTCCGGTCGGGGGTAC
t0063188	22	11 GGAGTGGTTATCGGGCATGATT
t0063260	24	11 GACACACTGAAGGTCTCCGGTTTCG
t0063261	28	11 GGTGGCTGTAGCTCAGTTGGCAGAGCAC
t0063283	21	11 GGAGAGATGGCCGAGTGGTTG
t0063291	27	11 GCCCGGGTGGCGGAATTGGTAGACGCA
t0063340	25	11 GGAGAAATGGCAGAGCGGTCTGAATG
t0063380	23	11 AGGCACGTAGCTCAGTGGGAGAG
t0063412	21	11 AAGCGGGAGGTCTTGAGTTCA
t0063430	29	11 AGGGGTATAGCTCAATTGGCAGAGCGTCCG
t0063472	23	11 GTCAGGATGGCCGAGTGGTCTAA
t0063559	27	11 GCCCCTGTGGCGGAACTGGTAGACGCG
t0063624	27	11 GCGGGAGTAACTCAGTGGTAGAGTGCA
t0063651	22	11 AGCGGAAGCGTGGTGGGCCCAT

t0063704	23	11 AGAGCGGAGGACTGTAGATCCTT
t0063732	22	11 GGTTCTGTTTCCCGGCTGGTGCA
t0063738	23	11 GTAGAGCGGAGGACTGTAGATCC
t0063760	20	11 GGGCTTATAGTTTAATTGGT
t0063773	21	11 GGATTGTAGTTCAATCGGTCA
t0063856	27	11 GGGGTGTAGCTTAGCCTGGTAGAGCGC
t0063860	27	11 GCTCAGTGGTAGAGCATTTGACTGCAG
t0063879	20	11 AGTGGCTGTAGTTTAGTGGT
t0063918	20	11 AAGCAGAAGGCCGTAGGTTC
t0063927	20	11 GTTGGCTGTAGTTTAGTGGT
t0064009	28	11 CCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGTACCC
t0064208	27	11 ACCAGTGGTCTAGTGGTAGAATAGTAC
t0064241	30	11 AGGAGTGTAGCTCAATTGGTAGAGCACCGG
t0064252	23	11 AGTTGGTTAGGATACTCGGCTCT
t0064257	25	11 CTCAGTTGGTAGAGCGAGGACTGTA
t0064284	20	11 TCGGAGAGGTACGGGGATCG
t0064344	22	11 TTCCAAGCAATAGATCCGGGTT
t0064368	21	11 TCAGTTGGTAGAGCTCAAGGC
t0064397	30	11 GGGGATGTAGCTCAAACGGTAGAGCACTCG
t0064403	23	11 GGGGATGTAGCTCTGATGGTAGA
t0064418	30	11 GCCCAGGTGGCGGAATTGGTAGACGCACTA
t0064442	25	11 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGC
t0064524	19	11 GCGGATATGGTCGAATGGT
t0064578	31	11 GCGGGTGGCGGAATAGGCAGACGCGCTGGAT
t0064579	31	11 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGGAGAGCGCCTGA
t0064603	24	11 GTGGCTGTAGTTTAGTGGAAGAA
t0064673	24	11 GCGGGTGTAGTTCAGTAGTAGAAC
t0064714	22	11 CGGAGCGGGAGATTGTGGGTTC
t0064793	28	11 TCCGGCGTAGCTCAGTCGGTAGAGCGGG
t0064840	28	11 CCGGATGGTGGAATGCAGACACGGCGAG
t0064862	23	11 TAGAATAGTACCCTGCCACGGTA
t0064919	26	11 GCCCAGATGGCGGAATTGGTCGACGC
t0065054	26	11 AGGACATTGGACTCTGAATCCAGTAA
t0065126	28	11 GGGTCTGTAGCTCAGGTGGTTAGAGCGC
t0065217	29	11 GGGGCTGTAGCTCAACTGGGAGAGCGCCA
t0065238	20	11 ATCAGAGTGGCGCAGCGGAA
t0065252	21	11 GCGGATATGGTCGAATGGTAC
t0065275	22	11 GTTAGGATACTCGGCTCTCACC
t0065329	21	11 TCGAACCCTGCTGTCGACGCC
t0065402	28	11 TGGTAGAGCATTTGACTGCATATCAAGA
t0065415	25	11 GGGGGTGTAGCTCAGCTGGGAGAGC
t0065440	27	11 CGGGGTGTAGCTCAGCCTGGTAGAGCA
t0065473	24	11 GGGGATGTAGCTCAGTTGGTAGAG
t0065516	23	11 GACCGCATAGCGCAGTGGATTAG
t0065527	23	11 GGGGTTGTAGCTCAAAGGTAGAG
t0065571	24	11 GGAGTCGTGACCGAGTGGCCGAAG
t0065575	23	11 GCGGGGATAACTCAGTTGGGAGA
t0065596	28	11 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTTATCACGT
t0065611	20	11 GGCGGAATAGGCAGACGCGC
t0065614	27	11 GGGCCTGTAGCTCAGTTGGTTAGAGCA

t0065627	29	11 GCGAACGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGCAA
t0065639	28	11 GCCCTCATCGTCTAGCGGCCTAGGACGC
t0065700	27	11 GCCGGTGTAGCTCAGGGGTAGAGTGCT
t0065723	28	11 GCGGGTGTAGCTCAGGGGTAGAGCACGA
t0065817	21	11 TAGGATACTCGGCTCTCACCC
t0065835	19	11 CCGAAAGGGCGTGGGTTCA
t0065865	22	11 GGTTAGGATACTCGGCTCTCAC
t0065956	30	11 GTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTA
t0065972	28	11 GGGGCTATAGCTCAGTTGGTTAGAGCGC
t0065973	18	11 AGCGGGAGATTGTGGGTT
t0066025	28	11 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTCGAGCAC
t0066031	28	11 GCCGGAGCGGTGGAATTGGCAGACACGC
t0066037	25	11 TCCCTGGTAGCTCAGCGGTAGAGCA
t0066045	27	11 AGCGGAAGCGTGGTGGGCCATAACCC
t0066151	28	11 GGCTTTTTGGTCTAGCGGTATGATTCTC
t0066182	26	11 GGGGGTGTAGCTCATATGGTAGAGAA
t0066219	23	11 TGGTAGAGCATTTGACTGCATCA
t0066280	20	11 AGAGCGGAGGACTGTAGATC
t0066316	28	11 GGGGCTGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGGT
t0066330	28	11 GGGGCGGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGTC
t0066350	23	11 GGGGATGTAGCTCAGATGGTGGA
t0066421	23	11 CTCGTGAGAGGGCGTGGGTTTCAT
t0066436	19	11 TCTAGCGGTTAGGACATTG
t0066483	20	11 GGGGATGTAGCTCAGAGGGG
t0066492	22	11 GCGCTCTTAGTTTCAGTTCCGTA
t0066560	20	11 TAGGTGGTTAGGATACTCGG
t0066587	26	11 GCGGACGTGGCGGAATTGGTAGACGC
t0066604	18	11 GGGGGTGTAGCTCATATG
t0066628	26	11 CGGACGTAGCTCAGTTGGTAGAGCGC
t0066646	22	11 GAGGATGTAGCTCAGATGGTAG
t0066695	28	11 TAGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTAGGT
t0066709	19	11 GCACCAGTTGTCTAGTGGT
t0066715	25	11 CCAGTTGTCTAGTGGTAGAATAGTA
t0066739	24	11 GGGTCCATAGCTCAGTGGTAGAGC
t0066803	22	11 GGAGAGGTGGATGAGCGGTTTA
t0066974	25	11 GGGGGTGTAGCTCATATGGTAGAAA
t0067091	21	11 TCGTGAGAGGGCGTGGGTTCA
t0067125	28	11 TGGTAGAGCAGAGGACTGTAGATCCTTA
t0067176	29	11 GCGGTCGTGGCGGAATTGGTAGACGCGCT
t0067196	29	11 GCGCCTGTAGCTCAGTGGATAGAGCGTCT
t0067229	25	11 GACACACTGAAGGTCTCCGGTTCGT
t0067232	20	11 GTGATGTAGCTCAGATGGTA
t0067245	23	11 CTCAGTTGGTAGAGCGGAGGACT
t0067309	27	11 GGGGCTGTAACCTCAGTGGTAGAGTCCT
t0067336	21	11 GGGGCTATAGCTCAGTCGGTT
t0067339	19	11 GCAGGAGGTCAGCGGTTCCG
t0067340	26	11 GCGGAAGCGTGGTGGGCCATAACCC
t0067391	29	11 GCGGTCGTGGCGGAATTGGTAGACGCGCA
t0067398	21	11 GGGGATATAGCTCAGATGGTA
t0067452	26	11 GGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGCA

t0067532	25	11 GCCCTCATCGTCTAGCGGCCTAGGA
t0067570	20	10 TGGGATGTAGCTCAAATGGT
t0067578	22	10 GTCTGGGTGGTGTAGTTGGTTT
t0067784	20	10 TCAGTTGGTAGAGCAAGGCT
t0067838	29	10 GCGTTTGTAGTCCAACGGTTCGGATAATT
t0067843	19	10 GCGGAAATAGCTTAATGGT
t0067884	18	10 TGGTAGAGCGGAGGACTG
t0067922	29	10 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCCA
t0067932	22	10 CCGACCTTAGCTCAGTTGGCCG
t0067974	18	10 GGGGATGTAGCTCAGGGG
t0067996	21	10 CCGGTGGTGTAGTTGGTTATC
t0068056	30	10 GGCTCTGTGGCGGAGTGGTGACGCAGAGGA
t0068058	27	10 GCGCGGTGGCGAAATCGGTAGACGCA
t0068098	27	10 GGTAGAGCTGAGGACTGTAGCTCCTTA
t0068205	20	10 AAGCGGGAGGTCTTGAGTTC
t0068259	30	10 AGGACATTGGACTCTGAATCCAGTAACCCG
t0068262	29	10 GGGGATGTAGCTCAAATGGTAGAGCCTCG
t0068270	27	10 GGTCTGTAGCTCAGTCGGTTAGAGCAC
t0068379	27	10 GAGTTGCGCAGCGGAAGCGTGGTGGGC
t0068389	23	10 AACTGAAGGTCTCCGGTTCGTG
t0068400	23	10 GGGAATGTAGCTCAAATGGTAGA
t0068437	25	10 GGTGTAGTTTAATGGTAGAACATCA
t0068441	18	10 TCAAGGCAGTGGATTGTG
t0068461	25	10 GGGGATGTGGCGGAATGGCAGACGC
t0068499	25	10 GCTCGGGTGGCGGAATTGGTAGACG
t0068512	21	10 GGTGTCGTGGTGTAGTTGGTA
t0068515	20	10 CGGTGTAGCTCAGTCGGTAG
t0068558	22	10 GCCTGATAAGCGTGAGGTCGGA
t0068625	19	10 TTGGTAGAGCGGAGGACTG
t0068626	23	10 TTAGGATACTCGGCTCTACCCCG
t0068633	25	10 GGCGCGGTAGCAAAGCGGTTATGCA
t0068818	24	10 GCGGGAGTAGTTCAATGGTAGAAC
t0068974	28	10 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGCGAGCGCC
t0069052	24	10 GCGTTTGTAGTCCAACGGTCAGGA
t0069180	22	10 GGGGATGTAGCTCAAATGGTAA
t0069234	24	10 GCGGAATAGGCAGACGCGCTGGAT
t0069341	29	10 GGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTTAGG
t0069392	20	10 ACTTCTAATCAGGCGATTGT
t0069490	24	10 GGTGTAGTTTAATGGTAGAACATC
t0069637	28	10 TCTGACTTCTAATCAGGCGATTGTGGGT
t0069776	21	10 AGCAGAAGGCCGTAGGTTCGA
t0069782	24	10 GGGATTGTAGCTCAAATGGTAGAG
t0069784	22	10 GGTCTCGTGGTGTAGTTGGTTA
t0069789	21	10 CCGAAAGGGCGTGGGTTCATC
t0069796	25	10 GCGGAATAGGCAGACGCGCTGGATT
t0069827	31	10 GAGGGCGTGGGTTCAAATCCCCTTCTGACA
t0069848	21	10 TCCCCTGTAGCTCAATTGGCA
t0069857	20	10 CGTGATGTAGCTCAGATGGT
t0069869	21	10 TGTAGTGGTTAGCACTCTGGA
t0069919	22	10 GCTCAGTCGGTAGAGCAAGCGG

t0069922	24	10 GGGGGTGTAGCTCATATGGTAGAT
t0069927	30	10 GGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGCGCTCGC
t0069929	20	10 TGGTAGAGCGGAGGACTGTA
t0069949	25	10 TCCGTTGTAGTCTAGGTGGTTAGGA
t0070029	28	10 GGGCGCGTGGTCTAGTGGTATGATTTTC
t0070168	20	10 GAAAGGGCGTGGGTTCAAAT
t0070305	25	10 GGTGGGTGTAGCTCAGCTGGCAGAG
t0070390	19	10 TCAGTTGGTAGAGCAAGGC
t0070427	24	10 GGGGATGTAGTTCAGATGGTAGAG
t0070431	24	10 GCCCTTCGTCTATCGGTTAGGACA
t0070456	22	10 GGTTCGATTCCGGTCGGGGGTA
t0070653	19	10 GAAAGGGCGTGGGTTCAA
t0070666	29	10 AGGCGCGTAGCTCAGCTGGTTAGAGCACC
t0070760	18	10 GTGTCGTGGTGTAGTTGG
t0070825	29	10 GGGCGTTTTGTCTAGTGGTATGATTCTCG
t0070845	27	10 TGGTAGAGCGGAGGACTGTAGATCCTT
t0070992	27	10 GCGGGCGTGGCGGAAGTGGTAGACGCG
t0071005	21	10 GGGGATGAAGCTCAGATGGTA
t0071027	23	10 TGTGTCGTTGTGTAGTTGGTTAT
t0071044	23	10 CGGGGTGTAGCTCATATGGTAGA
t0071050	31	10 GCGGTCGTGGCGGAATTGGTAGACGCGCAGC
t0071075	29	10 GCGGAAATAGCTTAATGGTAGAGCATAGC
t0071138	19	10 TCAGTTGGTAGAGCGCTGT
t0071166	24	10 CTCCGAGCGGGAGATTGTGGGTT
t0071217	23	10 GCGGAAGTAGCTCAGTTGGTAGA
t0071269	28	10 GCGGGAGTAACTCAGTGGTAGAGTGCAA
t0071324	23	10 GGGGGTGTAGCTCATATGGTATA
t0071389	22	10 GTGTCGTTGTGTAGTTGGTTAT
t0071418	22	10 GGGGATGTAGCTCAAATGGTAT
t0071436	24	10 AGCGGGGAGAGGAATTGGTCAAC
t0071447	26	10 GTTGTAGTATAGTGGTGAGTATTCCC
t0071493	21	10 GCGCCTGTAGCTCAGTGGATA
t0071503	28	10 GCACCAGTAGTCTAGTGGTAGAATAGTA
t0071556	29	10 GGGGCCGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGTCT
t0071629	21	10 GCGGTGAGCGTGGATCGAACA
t0071706	24	10 GCTCGGATGGTGAAATTGGTAGAC
t0071727	27	10 GGCTCAGTTGTCTAGTGGTATGATTCT
t0071739	20	10 GCGTTTGTAGTCCAACGGGA
t0071856	28	10 GGTCTGGTAGTCTAGCGGTATGATTCTC
t0071942	25	10 GGAGGATGTAGCTCAGTTGGTAGAG
t0071970	21	10 AGGTGGCGGAATTGGTAGACG
t0072034	26	10 TGCCTTCCAAGCAATAGATCCGGGTT
t0072154	22	10 GGGGGTGTAGCTCAGATGGTAG
t0072189	22	10 ACACACTGAAGGTCTCCGGTTC
t0072192	29	10 GGGTCTGTAGCTCAGTCGGTTCGAGCACC
t0072208	21	10 TGGGGCGTGGCCAAGCGGTAA
t0072223	23	10 GGGCGTTTGGTCTAGTGGTATGA
t0072307	22	10 GGGCATTTGGTCTAGTGGTATG
t0072565	22	10 GGGGGTGTAGCTCATGGTAGAG
t0072586	21	10 GTCAAGATGGCCGAGTTGGTC

t0072613	20	10 GGATTGTAGTTCAATCGGTC
t0072625	23	10 ATCGGGGTAGAGGAATTGGTCAA
t0072644	28	10 CCCCTGTAGCTCAATTGGCAGAGCAGCC
t0072729	24	10 GGTAGAGCATTGACTGCACATCA
t0072742	24	10 GGCGTCGTGGTGTAGTTGGTTATC
t0072825	23	10 GTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAG
t0072843	21	10 GCGCCTGTAGCTCAGGGGAGA
t0072893	24	10 GGGGATGTAGCTCAGATGGTACAG
t0072900	28	10 AGAGCTGAGGACTGTAGATCCTTAGGTC
t0072954	25	10 GGGGATGTAGCTCAGATGGTAGAGA
t0073002	29	10 GGCGGATGTAGCCAAGTGGATCAAGGCAG
t0073155	29	10 GGTAGAGCATTGACTGCAGATCAAGAGG
t0073161	29	10 GCGAGGATGGCGGAATTGGTCGACGCGCT
t0073223	29	10 CAGAAGGTTGCGTGTTTCGTTTCACGTCGG
t0073252	23	10 TGTGTCGTCGTGTAGTTGGTTAT
t0073295	23	10 GGGGGGGTAGCTCATATGGTAGA
t0073307	30	10 GGGGCTGTAGCTCAGCTGGGAGAGCGCGGG
t0073309	19	10 TCGGAGAGGTACGGGGATC
t0073419	22	10 GGGGATGTAGCTCAGAGGGTAG
t0073427	23	10 GTCCGAAAGGGCGTGGGTTCAAA
t0073438	25	10 TCAGTGGTAGAGCATTGACTGCAT
t0073451	21	10 TCCTCAGTAGCTCAGTGGTAG
t0073454	25	10 AGTTGGTAGAGCTGAGGACTGTAGA
t0073480	20	10 GGGGATGTAGCTCAGATGTT
t0073487	21	10 CCGAAAGGGCGTGGGTTCATA
t0073503	22	10 GGGGATGTAGCTCAGATGTTAG
t0073530	26	10 GTCGATATGTCCGAGTGGTTAAGGGA
t0073699	22	10 GGGGATGTATCTCAGATGGTAG
t0073707	25	10 GGAGATGTAGCTCAAATGGTAGAGC
t0073861	30	10 GGCGCGGTAGCAAAGCGTTATGCCCCGGA
t0073935	29	10 CTCAGTGGTAGAGCATTGACTGCAGATC
t0073940	29	10 GGTCTGTAGTTGATCCTGCATGGGGGCA
t0073996	22	10 GGGGATGTAGCTCAGAAGGTAG
t0074005	23	10 GGGGATGTAACTCAGATGGTAGA
t0074014	21	10 ACTGATAATGTAGGGGTCGGC
t0074039	24	10 GGTGCTGTGGTGTAGTGGTTATCA
t0074089	25	10 GGGTCTGTAGCTCAGTTGGTCAGAG
t0074161	19	10 GTTAGGATACTCGGCTCTC
t0074283	27	10 GTCGATATGTCCGAGTGGTTAAGGATA
t0074318	24	10 GCGGGTGTAGTTCAATGGTAGAAC
t0074323	29	10 GGTGGTTGTAGCTCAGTTGGTAGAGTCCA
t0074359	31	10 CGGGGTGTAGCTTAGCCTGGTAGAGCGCTAC
t0074390	28	10 GCCGCTGTAGCTCAGGGGTAGAGCAACG
t0074391	23	10 GACTTCTAATCAGGCCATTGTGG
t0074404	22	10 TTGCGAGAGCTGAGGACTGTAG