1 TCAGTGTCAGAATTGCACTGTAGGACACCAGTTGGTGTCTAGAGAGTTGGTGCCAGAACT

 |:|||||:|||||||:|:|||||||:|::|||||||||:|||||||||||||::||||:|

1 TTAGTGTTAGAATTGTATTGTAGGATATTAGTTGGTGTTTAGAGAGTTGGTGTTAGAATT

61 GGCTGGTGTGAGGAGGAAAAAAAGCCCACACAGCCCTCCTCCAGGCCATTCCTCCCGCTA

 ||:|||||||||||||||||||||:::|:|:||:::|::|::|||::|||::|::++:||

61 GGTTGGTGTGAGGAGGAAAAAAAGTTTATATAGTTTTTTTTTAGGTTATTTTTTTCGTTA

121 CATGGAGTCTCACGGTCCTTCACGGAGTGCTCAGAGCCTCCCGATCATCCCACTTTTAGC

 :|||||||:|:|++||::||:|++|||||:|:||||::|::++||:||:::|:||||||:

121 TATGGAGTTTTACGGTTTTTTACGGAGTGTTTAGAGTTTTTCGATTATTTTATTTTTAGT

181 ACAGCACTTTTCCACTTCTGGTCAATCTGATATTAGAATGTCCTACAATGTGCTTATTAG

 |:||:|:||||::|:||:||||:|||:||||||||||||||::||:||||||:|||||||

181 ATAGTATTTTTTTATTTTTGGTTAATTTGATATTAGAATGTTTTATAATGTGTTTATTAG

241 CCATTTTTTAAAACTAACATTTATAAAATTTATTTAGGCCAGGCACGGAGGCTCACACCT

 ::|||||||||||:|||:||||||||||||||||||||::|||:|++||||:|:|:|::|

241 TTATTTTTTAAAATTAATATTTATAAAATTTATTTAGGTTAGGTACGGAGGTTTATATTT

301 GTAATCCCAACATTTCGGGAGGCCGAAGTGGGCGGATCACCTCGGATCAGACTGGCTAAC

 |||||:::||:||||++|||||:++|||||||++|||:|::|++|||:|||:|||:|||:

301 GTAATTTTAATATTTCGGGAGGTCGAAGTGGGCGGATTATTTCGGATTAGATTGGTTAAT

 M>>>>>>>>>>>>>>>>>>>>>>

 U>>>>>>>>>>>>>>>>>>>>>>>>

361 ATGGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAACAATTAGCCAGGCGTGGTGGTGAGTG

 |||||||||::::||:|:||:||||||||:||||:||||||::|||++||||||||||||

361 ATGGTGAAATTTTATTTTTATTAAAAATATAAAATAATTAGTTAGGCGTGGTGGTGAGTG

 M<<<<<<<<<<<<<<

 U<<<<<<<<<<<<<<

421 ACTGTAATCCCAACTGCCCAGGAAGCTGGGCTGATGCAGGAGAATCGCTGGAACCCAGGA

 |:||||||:::||:||:::||||||:||||:|||||:||||||||++:|||||:::||||

421 ATTGTAATTTTAATTGTTTAGGAAGTTGGGTTGATGTAGGAGAATCGTTGGAATTTAGGA

<<<<<<<<

<<<<<<<<<

481 GGTGGAGGGAGCTTGCAGTGAGCCGAGATCTTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGAAAGAGA

 |||||||||||:|||:||||||:++||||:|||::|:||:|:|::||::|||||||||||

481 GGTGGAGGGAGTTTGTAGTGAGTCGAGATTTTGTTATTGTATTTTAGTTTGGGAAAGAGA

\*Comments：

Upper row: Original sequence

Lower row: Bisulfite modified sequence

 (For display, assume all CpG sites are methylated)

++ CpG sites

:::: Non-CpG 'C' converted to 'T'

M >>>> Left methylated-specific primer

M <<<< Right methylated-specific primer

U >>>> Left unmethylated-specific primer

U <<<< Right unmethylated-specific primer

**Primer sequence**

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| Primer | Primer sequence（5`--3`） | product length（bp） |
| H-NLRP1 M | Forward | ATTTTAATATTTCGGGAGGTCG | 125 |
| reverse | ATTACAATCACTCACCACCACG |
| H-NLRP1 U | Forward | AATTTTAATATTTTGGGAGGTTGA | 127 |
| reverse | AATTACAATCACTCACCACCACA |

**The sequence information of methylation sits of NLRP1 promoter region**

