1、PpGID1b

>Prupe.8G249800.1 CDS

ATGGCTGGCAGTAATGAAGTCAACGTCAATGAATCCAAGAGGGTCGTTCCGCTTAATACATGGGTACTCATCTCCAATTTCAAGCTAGCTTACAATCTCC

TGCGCCGGGCTGATGGAACATTCAACCGTGAGTTGGCAGAGTTTCTTGACCGCAAAGTCCCTGCCAATACAATTCCAGTTGATGGGGTTTTCTCATTTGA

TCACGTTGATAGAGGTACCGGACTCCTTAACCGGGTTTACCTACAGGCCCCTGAAAATGAGGCTCAATGGGGGATTGTGGATCTTGAGAAACCCTTGAGC

ACCACCAAGATTGTCCCAGTCATAATTTTCTTCCATGGTGGTAGCTTCACTCATTCCTCAGCCAACAGTGCCATCTATGATACATTCTGTCGCCGTCTTG

TTAATACATGCAAGGCTGTTGTAGTGTCAGTAAATTATCGTCGATCGCCTGAACATCGATATCCTTGTGCATATGATGATGGCTGGGCAACTCTCAAGTG

GGTTAAATCAAGAACATGGCTTCGGAGTGGGAAGGACTCAAAGGTTCATGTTTACCTGGCTGGAGACAGTTCAGGTGGCAACATTGCTCACCATGTTGCA

GTAAAAGCAGCTGAAGCAGAAGTTGAGGTATTGGGAAACATCCTTCTTCACCCCATGTTTGGTGGGCAAAAGAGAACAGAATCAGAAAAGAGATTGGATG

GGAAGTATTTCGTTACAATTCAAGACCGCGATTGGTACTGGCGAGCTTTTCTTCCTGAAGGAGAAGACAGAGACCACCCAGCATGTAATATATTTGGCCC

CAGAGATAAAAGCCTTGAAGGGCTCAAATTCCCCAAAAGTCTTGTTGTTGTGGCTGGTTTTGATCTTGTCCAAGATTGGCAATTGGCGTATGTGGAAGGG

CTGAAGAATTCAGGTCAGGATGTGAAGCTCCTTTATCTAAAGCAGGCCACAATCGGTTTCTACTTCCTGCCAAACAATGAGCATTTCTATTGTCTCATGG

AGGAGATAAGCAACTTCGTCAATCCTGACTGTTAA

1. PpGID1c

>Prupe.6G332800.1 CDS

ATGGCTGGGACCAACGAAGTCAACGTTAATGAATCCAGGACGGTGGTTCCATTGAATACATGGGTCCTCATCTCCAATTTCAAGTTGTCTTACAATCTTC

TTCGTCGACCTGATGGGACTTTTAACCGTCACTTGGCAGAATTCCTTGATCGGAAAGTGCCAGCCAATGCAAAACCAGTTGATGGGGTTGTCTCATTTGA

TGTCATCATTGACCGTGAAACTGGCCTGCTTACTCGAATCTATCAACCAGCCAATGCTGAAGAATCTGTGCTGAATATTCTTAATCTTGACAAACCTGTG

AGCAATGAGGTGGTGCCTGTCATAATTTTCTTCCATGGTGGAAGCTTTGCACACTCCTCTGCTAACAGTGGCATATATGATATTCTGTGCCGCCGACTAG

TTGGTATTTGCAAGGCTGTAGTGGTCTCTGTAAATTACCGCCGGGCACCTGAAAATCGATTTCCTTGTGCCTATGATGATGGATGGACAGCCCTGCAGTG

GGTCAACTCTAGATCGTGGCTTAAAAGTACAAAGGACTCAAAAGTTCATATATATCTTGCTGGTGATAGCTCTGGTGGGAACATTGTACACAATGTTGCT

TTAAGAGCAGTAGAATCTGGAATTGATGTATTGGGAAATATACTGCTCAACCCAATGTTTGGGGGGCAGGAGAGAACTGAATCTGAGAAGCGATTGGACG

GGAAATACTTTGTCACCATCCAAGACCGGGACTGGTATTGGAGAGCTTTTCTCCCTGAAGGGGAAGACAGGGACCACCCGGCATGTAACCCATTTGGTCC

AAGGGGTAATAACCTTGAAGCTATCAAGTTCCCAAAGAGTCTTGTCGTGGTGGCTGGTTTGGATCTTGTTCAGGACTGGCAATTGGCTTATGCTAAAGGG

CTTGAGAAGGCTGGCAAAAACATCAAACTTATGTATCTTGAGCAGGCCACAATTGGTTTCTACTTGCTGCCAAATAATGACCATTTCTACACCGTGATGG

ATGAGATAAGTAAATTTGTGTGTTCCAACTGTTAA