

Supplementary table 5. Estimated F_{st} values with ENA correction for null alleles. Pairwise F_{st} by Localities (in bold: p = <0.06)

	ALB	CT	FUERTE	ROSARIO	BARU	PB	PG	SJ	VAR	CHENGE	CUR_A	CUR_B	CUR_C	CUR_D	DOTT	FISH	FOLK
ALB																	
CT	0.314																
FUERTE	0.153	0.222															
ROSARIO	0.159	0.249	0.102														
BARU	0.182	0.308	0.166	0.130													
PB	0.133	0.259	0.072	0.108	0.097												
PG	0.127	0.246	0.089	0.090	0.103	0.058											
SJ	0.116	0.246	0.061	0.025	0.073	0.031	0.032										
VAR	0.180	0.314	0.189	0.202	0.185	0.164	0.160	0.158									
CHENGE	0.259	0.386	0.225	0.186	0.216	0.198	0.182	0.158	0.285								
CUR_A	0.237	0.360	0.274	0.256	0.294	0.255	0.230	0.233	0.281	0.326							
CUR_B	0.244	0.380	0.270	0.275	0.299	0.262	0.244	0.240	0.299	0.318	0.056						
CUR_C	0.260	0.407	0.308	0.285	0.300	0.275	0.262	0.255	0.301	0.292	0.099	0.093					
CUR_D	0.273	0.380	0.298	0.278	0.312	0.292	0.254	0.256	0.307	0.320	0.130	0.111	0.094				
DOTT	0.207	0.294	0.210	0.218	0.234	0.199	0.180	0.157	0.284	0.298	0.307	0.308	0.334	0.320			
FISH	0.178	0.306	0.217	0.193	0.227	0.188	0.160	0.144	0.230	0.270	0.274	0.261	0.294	0.283	0.103		
FOLK	0.181	0.331	0.237	0.209	0.260	0.200	0.159	0.163	0.237	0.284	0.266	0.269	0.301	0.282	0.146	0.084	
GUA	0.288	0.412	0.323	0.333	0.371	0.306	0.292	0.268	0.356	0.384	0.426	0.427	0.450	0.444	0.341	0.313	0.329